



كلية العلوم

القسم : علم الحياة

السنة : الثالثة

المادة : الانزيما

المحاضرة : التاسعة / نظري

{{ مكتبة A to Z }}

مكتبة A to Z : Facebook Group

كلية العلوم ، كلية الصيدلة ، الهندسة التقنية ، تكنولوجيا المعلومات والاتصالات



يمكنكم طلب المحاضرات برسالة نصية (SMS) أو عبر (What's app-Telegram) على الرقم 0931497960

Production of Food Additives Using Filamentous Fungi

Carsten M. Hjort

إنتاج المضافات الغذائية عن طريق الفطريات الخيطية

4.1: الفطريات الخيطية في إنتاج الأغذية

تعد الفطريات من الكائنات الحية الدقيقة حقيقية النواة التي تم استخدامها كأطعمة أو لتصنيع المواد الغذائية لأكثر من ألف سنة. وتشتمل المملكة الفطرية على الخمائر وحيدة الخلية والفطريات الخيطية التي تعد من الكائنات المتعددة الخلايا التي تنتظم خلاياها في سلاسل تعرف بالهيفات. ويمكن للهيفات التشعب (التفرع) بدرجات مختلفة. بعض الفطريات تأخذ الطرازين المختلفين للنمو (dimorphic)، وهذا يعني أنها قد تنمو على كلا الصورتين وحيدة الخلية والخيطية.

وقد استخدمت الخمائر على نطاق واسع لإنتاج الغذاء. فالـ *Saccharomyces cerevisiae* والتي تعرف بخميرة الخبز تستخدم في صناعة وتجهيز المخبوزات، والعديد من عمليات التخمير الأخرى، وصناعة النبيذ. وفي كل هذه التطبيقات تعد القدرة على تخمر الجلوكوز إلى الإيثانول وثاني أكسيد الكربون الخاصية الرئيسية للخميرة.

منذ ظهور تكنولوجيا الإنتاج معاد الصياغة، استخدمت مجموعة متنوعة من الخمائر لإنتاج الانزيمات وبعض نواتج التمثيل الغذائي. وقد تم تطوير نظم للتعبير معادة الصياغة ملائمة للإنتاج على نطاق واسع للعديد من الخمائر مثل لـ *Saccharomyces cerevisiae*, *Schizosaccharomyces pombe*, *Pichia pastoris*, *Pichia methanolica*, *Hansenula polymorpha*, *Kluyveromyces lactis*, *Yarrowia lipolytica* وغيرها من الأنواع [1، 2]. ولإنتاج الانزيمات الغذائية، تستخدم الفطريات الخيطية على نطاق واسع بكثير من استخدام الخمائر.

وقد استخدمت الفطريات الخيطية في إنتاج الأغذية لفترة طويلة جدا. وأحيانا يستخدم الفطر نفسه كطعام. ويعد فطر عيش الغراب (*Agaricus bisporus*) المعروف بالمشروم أحد الأمثلة على ذلك؛ وفي الآونة الأخيرة تم تطوير الفطر الأسكى *Fusarium venenatum* كمصدر غذائي للخلية وحيدة البروتين (single-cell protein food source) والذي يسوق تحت اسم "Quorn" من قبل شركة مارلو (Marlow) للأطعمة [3]. أحيانا تمثل الفطريات أحد العناصر في الغذاء، على سبيل المثال في الجبن، حيث تمثل مجموعة متنوعة من أنواع البنسليوم (e.g. *P. roqueforti* and *P. camemberti*) جزء من الجبن المنتج. وأقدم الأمثلة على استخدام الفطريات الخيطية في إنتاج الأغذية كان استخدامها لإجراء عمليات التخمير للمواد الغذائية. وفي اليابان استخدمت فطريات الـ *Aspergillus oryzae* (الشكل 4.1)، والـ *Aspergillus sake* والأنواع الأخرى ذات الصلة لتخمير الساكي والشيو والميسو. في هذه العمليات تقوم الفطريات بتخمير السكر إلى كحول، ولكن بنفس القدر من الأهمية تفرز الفطريات بعض الانزيمات مثل البروتيازات والأميليزات (proteases and amylases) والتي تقوم بتحويل المادة الخام إلى المنتج المطلوب. ولقد تم الاعتراف بقدرة المعقد الأنزيمي الذي ينتجه فطر الـ *Aspergillus oryzae* في صناعة الأغذية في أواخر القرن التاسع عشر. في 1894 بدأ راند الانزيمات الياباني الأمريكي Jockichi-Takamine في مصنع صغير في شيكاغو- صناعة المعقد الأنزيمي من فطر الـ *Aspergillus oryzae* والذي تم تسويقه تحت الاسم التجاري Takadiastase [4] في وقت لاحق، وفي الخمسينات، تم تطوير واستخدام التخميرات المغمورة في الصناعة في الولايات المتحدة. وقد تم تطوير الـ *Aspergillus oryzae* لإنتاج مجموعة مختلفة من المنتجات الانزيمية من خلال عملية التخمير المغمورة، مع التركيز على الـ proteases and amylases. والأنواع الأخرى من الـ *Aspergillus*، على سبيل المثال الـ *Aspergillus black*, *Aspergillus niger*, *Aspergillus awamori*, *Aspergillus fetidus*, *Aspergillus aculeatus*, and *Aspergillus japonicas* كانت تستخدم أيضا وذلك بصورة أساسية لإنتاج انزيم الجلوكوأميليز [5]

وكان هذا الانزيم الأساس لثورة الإنزيمات في صناعة النشا. تقليدياً، كان يتم تحلل النشا إلى جلوكوز باستخدام حمض الهيدروكلوريك، ثم إجراء عملية التعادل. خلال هذه العملية، كان يتم تكون العديد من المنتجات الثانوية وينتج كميات كبيرة من الأملاح أثناء هذه الخطوة. وعن طريق إدخال التحلل لأنزيمي تم تفادي النواتج الثانوية مما أدى إلى الحصول على نواتج ذات نوعية أفضل مع خفض سعر التكلفة.

كما تم استخدام *Aspergillus niger* لإنتاج كميات كبيرة من مركبات الأيض الأولية، على سبيل المثال حامض الستريك [5]. وكذلك تم تطوير عملية التخمير لإنتاج الإنزيمات وبعض نواتج التمثيل الغذائي. وتم أيضاً إنتاج سلالات محسنة بشكل كبير من خلال المطفرات باستخدام المواد الكيميائية أو الأشعة ثم الفحص والانتخاب.

وعلى الرغم من تحقيق تحسينات كبيرة عن طريق التحسين الكلاسيكي للسلالات وضبط الظروف المثلى لعمليات التخمير، إلا أن تكنولوجيا الحمض النووي معاد الصياغة أحدثت ثورة في إنتاج الإنزيمات الميكروبية. ويوجد أسباب كثيرة لذلك. أولاً، من الممكن إنتاج الإنزيمات المعزولة من أي كائن حي تقريباً بكمية جيدة بنظام تعبير مطور وآمن بدرجة عالية. وقد أدى تراكم الدراسات الخاصة بالسمية والسلامة للوصول إلى منتجات بهذه النظم مع التوثيق الجيد لسلامة هذه المنتجات. وبهذه الطريقة يمكن إنتاج العديد من المنتجات الإنزيمية المختلفة من خلال نفس عملية الإنتاج. ثانياً، يمكن تعديل الكائن المضيف (الكائن الحي الذي يتم إدخال الحمض النووي الخارجي إليه) ليتناسب مع مواصفات الجودة للانزيم المنتج. هذه التعديلات تشمل إزالة النشاط أو الأنشطة الجانبية الغير مرغوب فيها، مما يؤدي إلى نقاء المنتج وهذا لا يمكن أن يتحقق عن طريق استخدام الأساليب الأخرى. ويمكن أيضاً أن زيادة ناتج التخمير من الإنزيمات، في كثير من الأحيان إلى عدة أضعاف، بالمقارنة مع الناتج الذي يمكن الحصول عليها من الكائن الحي المعطى. وأخيراً، يمكن عن طريق استخدام تكنولوجيا الحمض النووي معاد الصياغة أن تنتج الإنزيمات المهندسة وراثياً. وهذه الإنزيمات المهندسة وراثياً عبارة عن مجموعة من الإنزيمات تتراوح من الإنزيمات التي يتم استبدال واحد أو أكثر من الأحماض الأمينية بها بواحد أو أكثر من الأحماض الأمينية الأخرى إلى الإنزيمات الهجينة التي يتم إنتاجها بدمج جينين أو أكثر من الجينات المسنولة عن إنتاج الإنزيمات. بواسطة الهندسة الوراثية، وبالتالي يمكن الحصول على إنزيمات ذات خصائص محسنة بشكل كبير.

في فجر عصر الإنتاج معاد الصياغة، كان اختيار نظام التعبير واحد من أولى وأهم الخيارات التي كان لا بد من إنجازها. والخبرة الموسعة على *Aspergilli* جعلتها من العوائل المفضلة المرشحة للاستخدام. حيث عرف عنها القدرة على إنتاج كميات كبيرة من البروتين خارج الخلية. مما يجعلها مناسبة للإنتاج في البيئات السائلة في تنكات من الفولاذ الذي لا يصدأ، وقد تم انتخاب الطفرات التي تتميز بقدرة أفضل على التكيف مع هذه البيئات. بسبب الاستخدام الطويل لـ *Aspergillus oryzae* [6] و *Aspergillus niger* [7] ككائنات حية لإنتاج الإنزيمات الغذائية، قد تم الاعتراف بأمان هذه المنتجات حيث يشار إليها بالـ GRAS (generally regarded as safe) لعدة سنوات من قبل إدارة الأغذية والعقاقير FDA.

على الرغم من أن أنواع الاسبرجلس مثل *Aspergillus oryzae* [8]، و *Aspergillus niger*، و *Aspergillus awamori* [9] هي السائدة في إنتاج الإنزيمات، قد تم تطوير نظم فطرية أخرى لإنتاج الإنزيمات. وتعد الترايكوديرما *Trichoderma reesei* a.k.a. *Trichoderma longibrachiatum* من الفطريات التي تهدم الأخشاب والتي جذبت الانتباه أولاً بسبب قدرتها على إنتاج كميات ضخمة من السليوليزات والهيمسليوليزات. ولقد ثبت أن *T. reesei* مناسبة للتخمير وتم تطوير العديد من نظم التعبير المعتمدة عليها [10].

ولقد تم مؤخراً تطوير نظام جديد للتعبير في فطر الفيوزاريوم (*Fusarium venenatum*) (the *Fusarium venenatum* expression system) [11]. ويستخدم الفيوزاريوم لإنتاج البروتين وحيد الخلية، على النحو المذكور أعلاه. واحد الخصائص الأساسية لهذا الفطر هي مناسبته الجيدة للتخميرات المغمورة. فمن السهل التهوية كنتيجة لخصائصه الريولوجية. واستخدام الفطر كغذاء شكل أساساً لوضع تاريخ الاستخدام الآمن.

تكنولوجيا الحمض النووي معاد الصياغة قد استخدمت كأداة لتحسين نظم إنتاج الإنزيمات. وقد اقترح التعامل مع عمليات التمثيل الغذائي للفطر لزيادة نواتج عمليات الأيض المطلوبة، كحامض الستريك سبيل المثال [12]، وللقضاء على نواتج الأيض غير المرغوب فيها، كحمض الأكساليك على سبيل المثال [13]، أو للتمكن من إنتاج بعض مركبات الأيض الغريبة عن الفطر، كالأستازانثين (astaxanthin) على سبيل المثال [14]. ويشار إلى مثل هذا النوع من التغيير في عملية التمثيل الغذائي بالهندسة الأيضية.

4.2: المضافات لصناعة الأغذية

يستخدم في صناعة المواد الغذائية بعض المواد المضافة ذات المنشأ الميكروبي لأغراض عديدة مختلفة. اليوم، تعد الإنزيمات أفضل مثال على ذلك والتي تنتج باستخدام الكائنات الدقيقة المعدلة وراثياً (GMMs) والتي تستخدم لإنتاج الغذاء. وقد استخدمت الإنزيمات في صناعة المواد الغذائية لآلاف السنين. فالكموسين (Chymosin) المعزول من العجول قد استخدم في صناعة الجبن، والأميليزات (amylases) المنتجة من الشعير استخدمت في عمليات التخمير (brewing)، واستخدمت الأميليزات amylases والبكتينيزات pectinases التي تنتج من العنب في صنع النبيذ، وهذه مجرد ثلاثة أمثلة فقط. الاستخدام المحدد للإنزيمات الميكروبية هو تطور أكثر حداثة والإنزيمات المنتجة بفعل الكائنات الدقيقة المعدلة وراثياً (GMMs) لم يتم استخدامها في صناعة المواد الغذائية حتى أواخر الثمانينات. اعتماداً على البلد الذي يتم فيه استخدام الإنزيمات، تصنف الإنزيمات على أنها مضافات غذائية أو مساعدات في عمليات تجهيز الأغذية.

تستخدم صناعة النشا الكميات الأكبر من الإنزيمات من حيث الحجم. وتستخدم Alfa amylases والـ amyloglycosidase لتحويل النشا إلى جلوكوز. وجزءاً من شراب الجلوكوز الناتج يتم معالجته بعد ذلك باستخدام الـ glucose isomerase لتحويل الجلوكوز إلى فركتوز لإنتاج شراب الذرة عالي الفركتوز. ويستخدم الـ amylases and xylanases في صناعة الخبز لتحسين جودة الخبز من خلال إعطائه زيادة في الحجم وانتفاخ أفضل وعمر أطول. وفي الآونة الأخيرة أدخل الليباز في صناعة الخبز للمساعدة في تكوين الـ emulsifiers. وفي صناعة الألبان، تم أمداد الكيموسين المستخرج من العجول لإنتاج الجبن بالبروتيازات ذات المنشأ الميكروبي. والكيموسين المنتج بواسطة الـ recombinant *Aspergillus niger* أصبح أيضاً من المنتجات الهامة جداً. تستخدم بعض الإنزيمات الأخرى من غير البروتيازات المستخلصة من المجترات في صناعة الألبان. على سبيل المثال، يتم استخدام اللاكتاز لتحلل اللاكتوز. وهذا اللاكتاز الميكروبي ذو فائدة هامة بالنسبة للأشخاص الذين يعانون من عدم تحمل اللاكتوز. وتستخدم الـ amylases الميكروبية في صناعة الخمور لتحسين قوة وكفاءة عملية الهرس. كما تم تطوير بعض الإنزيمات لإزالة مركب اللدى أستيل diacetyl ذو الطعم السيئ من البيرة. وحيث أنه ينظر إلى البيرة من قبل العديد على أنها من المنتجات التقليدية للغاية، فإن العديد من البلدان تنظم بدقة أنواع المضافات التي يمكن استخدامها في عملية التخمير. صناعة النبيذ تعد مثال آخر على الصناعات المحافظة التي تغلغل الإنزيمات الميكروبية فيها ببطيء. هذا ينطبق بشكل خاص على الإنزيمات التي تنتجها الكائنات الدقيقة المعدلة وراثياً. تستخدم البكتينيزات (Pectinases) لزيادة الناتج من العصير أثناء الهرس. ويستخدم الـ Betaglucanases لإزالة الضباب الناجم عن نمو الـ *Botrytis* على العنب. ومن أغرب الإنزيمات استخداماً في هذه الصناعة أنزيم الـ laccases والذي يستخدم للحفاظ على سدادات الفلين، ولمنع خروج نكهة الفلين في الخمور الناتجة.

4.3: تصميم الكائنات الدقيقة المعدلة وراثياً لإنتاج المضافات الغذائية والمساعدة في المعالجة:

تعد الإنزيمات المنتجة بفعل الكائنات الدقيقة المعدلة وراثياً من أهم الأمثلة على المضافات الغذائية والمواد المساعدة في عمليات تجهيز الأغذية، لذلك في هذا القسم سوف يتم إعطاء وصفاً شاملاً لتطوير السلالات المضيفة وناقلاً التعبير المستخدمة في إنتاج الإنزيمات. وأيضاً سوف يتم إعطاء وصفاً موجزاً عن أدوات إنتاج بعض مركبات الأيض.

كما سبق ذكره، يعد الـ *Aspergillus oryzae* أحد الفطريات الخيطية الهامة المستخدمة لإنتاج الإنزيمات معاد الصياغة (recombinant production of enzymes). وقد تم اختيار الـ *Aspergillus*

oryzae كسلالة مضيضة بسبب التاريخ الآمن للمنتجات المستخدمة، وذلك بسبب الخبرة المكتسبة بالفعل جراء استخدام هذا الكائن للإنتاج، وكذلك نظراً للإنتاج الضخم للبروتين من هذه الكائنات الحية الدقيقة.

إنتاج الـ *amylases and proteases* ، بصفة خاصة، من هذه الفطريات له عيوب رئيسية. هناك شرطين أساسيين عند إنتاج الأنزيمات هما نقاء المنتج وثباته. عند إنتاج أنزيم معين (باستخدام هذا الفطر) يعد وجود الـ *amylases* غير مرغوب فيه، حيث تعتبر هذه البروتينات (*amylases*) في هذه الحالة نوع من التلوث كما أن نشاط هذه الأنزيمات (*amylases*) قد يعطي بعض التفاعلات الجانبية الغير مرغوبه. ووجود البروتينات الخاص بالسلالة المضيضة أيضاً غير مرغوب فيه، لأن هذه البروتينات لا يعد فقط مجرد بروتين ملوث، بل قد يكون له تأثير سلبي كبير على ثبات الأنزيم المستهدف الناتج. هذه الأنشطة الانزيمية الغير مرغوب فيها قد تم إزالتها إلى حد كبير جداً وأهم أداة لذلك هو تعطيل الجينات (*Gene disruption*) [15] المسؤولة عن إنتاجها. كما تم استخدام تعطيل الجينات على نطاق واسع لتحسين نظم التعبير في الـ *Aspergillus niger*, *Trichoderma reesei*, and *Fusarium venenatum*. وتتلخص الخطوات الأساسية لتعطيل عمل أحد الجينات في:

(1) استنساخ (*Cloning*) الجين المراد تعطيل عمله بالإضافة إلى حوالي 1-2 كيلو قاعدة من كلا التتابعات المحيطة به (السابقة واللاحقة) أي حوالي 1000-2000 زوج من القواعد السابقة للتابع الشفري و 1000-2000 زوج من القواعد التالية لهذا التابع المستهدف).

(2) استبدال التابع الشفري جزئياً أو كلياً بأحد الواسمات الانتخابية للحصول على البلازميد الخاص بالتعطيل الجيني (*gene-disruption plasmid*).

(3) قطع البلازميد بأحد أنزيمات القطع المحدد المناسبة لجعله في صورة طولية ثم نقله إلى الفطر العائل.
(4) انتخاب المتحولات الوراثية من خلال النظام الانتخابي المناسب للبلازميد المستخدم ثم فحص المتحولات الوراثية للوصول إلى الطراز التزاوجي المطلوب. ويلخص الشكل التوضيحي 4. 2. طريقة الـ *gene-disruption*.

يعتبر الواسم (*pyrG* (orotidine-5'-phosphate decarboxylase) المبين في المثال السابق إحدى الواسمات الخاصة بالعوز الغذائي والذي يستخدم على نطاق واسع مع فطر الـ *Aspergillus oryzae* ومع بعض فطريات الاسبرجلس الأخرى لعمل تعطيل للجينات (*gene disruption*) [16]. وهو أحد جينات التخليق الحيوي المشتركة في المسار التخليقي للبيريميدين. ويفتضي ذلك أن تكون السلالة التي سيتم تحويلها وراثياً سالبة بالنسبة لهذا الجين (*pyrG negative*). ويتميز هذا الواسم بأنه ثنائي الاتجاه، حيث يمكن الانتخاب لوجوده أو غيابه على حد سواء. ويتم الانتخاب لوجود هذا الواسم (*pyrG*) ببساطة عن طريق إجراء التحويل الوراثي لسلالة *pyrG* ثم الانتخاب على بيئة الحد الأدنى (*Minimal Medium*) للنمو ذاتية الاغذاء (*Prototrophy*) للبيريميدين (فقط الخلايا التي تحتوي على الجين *pyrG* في حالة سليمة هي التي يمكنها النمو على البيئات من هذا النوع). ويمكن الانتخاب لغياب هذا الجين *pyrG* بواسطة النمو على بيئة الحد الأدنى المحتوية على اليوريدين إلى جانب المركب الـ 5-fluoroorotic acid. وإضافة اليوريدين تمكن الخلايا من النمو دون الحاجة للجين *pyrG* ويعمل المركب 5-fluoroorotic acid على الانتخاب المضاد لهذا الجين *pyrG* حيث يتحول هذا المركب (5-fluoroorotic acid) إلى مادة سامة بواسطة الخلايا التي تحتوي على الجين *pyrG* في صورة وظيفية فعالة.

ويعد الانتخاب ثنائي الاتجاه للجين *pyrG* أداة مريحة للغاية لإحداث تعطيل لعدد كبير من الجينات. يتم بناء البلازميد الخاص بتعطيل أحد الجينات المستهدفة (*disruption plasmid*) ثم يتم عزل الطفرات السالبة للـ *pyrG* (*pyrG negative mutant*) للسلالة المضيضة باستخدام حامض الـ 5-fluoroorotic. ويتم التأكد من السلالات المحولة وراثياً ذات الطرز الوراثي المطلوب من خلال التحليل بالاستعانة بالـ Southern blot. ويمكن بعد ذلك أن يتم الانتخاب المضاد للـ *pyrG* [17]، وتصبح السلالة الناتجة جاهزة بعد ذلك لجولة جديدة من الـ *gene disruption* باستخدام أي من البلازميدات الخاصة بتعطيل أي من الجينات الأخرى.

وهناك بعض الواسمات الانتخابية الأخرى ثنائية الاتجاه، على سبيل المثال الـ *niaD* (nitrate reductase) system [18]، إلا أن الـ *pyrG* system هو الأكثر تطبيقاً.

ويتضح من الشكل 4. 2 أن عملية تعطيل الجينات تؤدي إلى تغييرات كبيرة في تسلسل الحمض النووي في الموقع المستهدف. هذه التغييرات غير رجعية، بمعنى أنها سوف تكون موجودة في جميع السلالات التي ستنتج فيما بعد من تلك السلالة. وسوف تكون أيضاً موجودة في المتحولات الوراثية (transformants) المحولة بأحد الجينات الخاصة والمكونة للسلالة المعدلة وراثياً GMM المستخدمة في الإنتاج. وبالتالي يعد موضع التعطيل الجيني (gene disruption locus) الهدف المحدد لتحليل الحمض النووي في الـ GMM الناتجة. وبهذه الطريقة قد يتم الكشف عن السلالات المضيفة المحتوية على الـ DNA معاد الصياغة، ولكن إذا تم استخدام هذه السلالة المضيفة لإنتاج المزيد من المنتجات، فإنه لا يمكن الكشف عن منتج معين في الـ GMM

عن طريق استخدام التعطيل الجيني قد أمكن تعطيل العديد من جينات الـ *amylase*, *glycoamylase*, and *protease* في سلالات الـ *Aspergillus oryzae*, *Aspergillus niger*, and *Aspergillus awamori*. وقد استخدمت تقنية مشابهة لتعطيل جينات السيلولوز في الـ *Trichoderma reesei* والمسارات الأيضية في الـ *Fusarium venenatum* [19]، والـ *Aspergillus niger* [13]. بدلاً من تعطيل الجينات الفردية كلا على حدة فإنه من الممكن أيضاً تعطيل المنشطات العامة (global activators) التي تنظم التعبير الجيني لفئات كاملة من الانزيمات. على سبيل المثال، في فطر الـ *Aspergillus niger* يوجد منظم عام للبروتياز (general protease regulator) ينشط تعبير مجموعة من البروتيازات الخارجية الأخرى. وعن طريق تعطيل هذا الجين فقط يمكن إسكات كل من هذه الجينات الخاصة بإنتاج هذه البروتيازات الأخرى [20]

أن تطوير السلالة المضيفة مهم جداً لكفاءة نظام التعبير وجودة المنتج النهائي، وتحسين السلالة المضيفة يولد نتائج يمكن تتبعها (sequence tags) في الـ GMM النهائية تكون مناسبة للتحليل. وبعد الناقل التعبيرى (expression vector) أحد الـ Tags الأخرى في الـ GMM الناتجة، وهذا الناقل التعبيرى عادة يكون مخصص للمنتج الذي ينبغي التعبير عنه، وبالتالي يعد هدفاً طبيعياً للتحليل عند تحليل المنتج المستهدف.

ناقلات التعبير بصفة عامة تتألف من العناصر التالية:

- 1- الجين الذي يشفر إلى المركب المراد إنتاجه
 - 2- البروموتور الذى يقود تعبير الجين المستهدف ويمكن أن يكون هذا البروموتورز أحد البروموتورز المطورة لنظام تعبيرى أو قد يكون متخصص فقط للجين المستهدف (عادة يكون لكل جين مستهدف البروموتور الخاص به)
 - 3- ترمينيتور لإنهاء عملية الترجمة (translational terminator) وهو أيضاً قد يكون مطورة لنظام تعبيرى أو قد يكون متخصص فقط للجين المستهدف (عادة يكون لكل جين مستهدف الترمينيتور الخاص به)
 - 4- مراكز انتخابى لإنتخاب العائل الذى يحتوى على التعبير المرغوب.
 - 5- بعض العوامل الإضافية في الناقل (additional vector elements) والتي تستخدم لبناء هذا الناقل على سبيل المثال مراكز إنتخابى مناسب للـ *E. coli* ومنشأً للتناسخ أيضاً في الـ *E. coli*. يتم نقل الناقل التعبيرى إلى الخلية الفطرية المضيفة حيث يحدث له اندماج في أحد كروموسومات هذه الخلية المضيفة عادة في عدة نسخ جنباً إلى جنب في واحدة مكان بالاندماج المتتالى [21، 22]. ويوضح الشكل 4. 3. الاندماج الأمثل لنسختين فقط.
- وعادة ما يتم بناء الناقلات التعبيرية في بكتريا القولون (*Escherichia coli*)، والعناصر اللازمة لذلك غالباً ما تكون موجودة في ناقلات التعبير النهائية. ومن أكثر الواسمات استخداماً في الانتخاب فى الـ *E. coli* جين البيتا لاكتاميز (beta lactamase gene) والذي يعطى المقاومة لمركبات البنسلين مثل الأمبيسلين. أهتمام وقلق العامة إزاء انتشار جينات مقاومة المضادات الحيوية لفت الانتباه إلى هذا الجزء من الناقل التعبيرى على الرغم من عدم

العثور على أي من هذه الجينات المسؤولة عن المقاومة والمستخدم في إنتاج الـ GMMs في الطبيعة، حتى عندما تم النشر بكميات كبيرة في الحقول المجاورة [23]. ولذا فقد تم استبدال جينات المضادات الحيوية بواسطة جينات أخرى مثل جينات العوز الغذائي من قبل معظم منتجي الانزيمات، وغالبا ما يتم إزالة الجزء الخاص ببيكتريا القولون تماما من ناقلات التعبير قبل نقلها إلى السلالة المضيفة.

أن الواسم الانتخابي المستخدم للانتخاب في الفطريات مهم جدا، حيث أن الأنواع المختلفة من الواسمات تتباين من حيث عدد النسخ المندمجة في ناقلات التعبير. يستخدم أحيانا الجين *pyrG* لانتخاب الناقل التعبيرى، عادة عندما تكون الاستراتيجية المستهدفة هي إدخال الجينات الهجينة في موضع معين. ويمكن أن يكون هذا الموضع موضع الـ amyloglycosidase في فطر الـ *Aspergillus awamori*. ويمكن أيضا أن يستخدم الواسم *pyrG* عندما تكون الاستراتيجية المستخدمة تستهدف إزالة هذا الواسم من خلال الاتحادات الوراثة الجديدة في خطوة لاحقة لخطوة التحول، بطريقة مماثلة إلى حد كبير جدا للطريقة المستخدمة لتعطيل الجينات [24]. والعيب في هذه الاستراتيجيات هو أنه عادة ما تندمج نسخة واحدة فقط من الناقل التعبيرى في الجينوم، مما يؤدي إلى انخفاض الإنتاج للناتج المستهدف.

والجين *amdS* (acetamidase) الخاص بفطر الـ *Aspergillus nidulans* [25] غالبا ما يستخدم كمركز انتخابى في أنواع الاسبرجلس وحتى في غيرها من الفطريات. ويعتمد الانتخاب على أن هذا الجين (acetamide gene) يمكن الخلايا المحولة وراثيا من التحلل المائي للأسيتاميد، وخلال هذا التحول تستخدم الأمونيوم المتكونة كمصدر وحيد للنيتروجين أو الخلات المتكونة كمصدر وحيد للكربون. وميزة هذا الواسم هي الحصول عليه في كل من الـ *Aspergillus oryzae* and *Aspergillus niger* بأعداد عالية من النسخ، وبالتالي يمكن الحصول على نواتج عمليات التخمر بكميات عالية الإنتاج.

ويعد اختيار البروموتور من الأمور الحاسمة بالنسبة لكمية المنتج المستهدف وهو يمثل أحد أهم العناصر التي تم دراستها وتطويرها على نطاق واسع. للتعبير في أنواع الاسبرجلس يعد بروموتور الأميليز الاختيار الطبيعي كنقاط بداية لتطوير البروموتور. وهناك أنواع قوية جدا من البروموتورز والتي يمكن تنظيم عملها في الإنتاج، حيث أنه يمكن تفعيلها باستخدام النشا والملتودكسترين (maltodextrins) والملتوز. واحد سلباتها هو أنها، تثبط هدم الكربون (carbon-catabolite-repressed) مما يضع قيود على الإنتاج. لتجنب انخفاض الإنتاجية، يجب أن يكون معدل التغذية أثناء استمرار عملية التخمر تحت السيطرة بعناية. وينظم بروموتور الأميليز في أنواع الاسبرجلس بالطريقة نفسها، وثبت أنه يفعل من قبل نفس المنشط [26].

ويعتبر الـ TKA amylase أحد جينات الأميليز التي يتم التعبير عنها بصورة جيدة في الـ *Aspergillus oryzae*، وبالتالي فإنه يمثل أحد أكثر البروموتورز استخداما على نطاق واسع [8]. وبروموتور الأميليز الطبيعي في الـ *Aspergillus niger* مشابه إلى حد كبير للـ TKA promoter الخاص بالـ *Aspergillus oryzae* وبالتالي فهو أيضا يستخدم على نطاق واسع [27]. ويشترك هاذين البروموتورين في درجة كافية من التشابه النيكلوتيدي مما يساعد في وضع طرق تحليلية من شأنها الكشف عليهما على حد سواء.

وبروموتور الأميلوجلوكوسيداز (amyloglycosidase) الخاص بالـ *Aspergillus niger* or *Aspergillus awamori* لهما نفس درجة القوة. وتتابعهما بعيد تماما عن تتابع الـ TKA وبروموتور الأميليز الطبيعي ولكن عملهما ينظم بنفس المنشط. وبروموتر الـ amyloglycosidase يستخدم أيضاً على نطاق واسع [9].

اختيار الـ terminator ليس بالصورة الحاسمة كاختيار البروموتور. في الاسبرجلس يستخدم على نطاق واسع الـ amyloglycosidase terminator المأخوذ من الـ *Aspergillus niger* [8].

الناقلات التعبيرية للـ *Trichoderma reesei* تختلف نوعا ما عن ناقلات التعبير في أنواع الاسبرجلس. ومن أكثر البروموتورز استخداما الـ cellobiohydrolase I promoter أو بدائل منه [28]. هذا البروموتر، مثل الـ sophorose، يتم تفعيله بواسطة السليلوز وأيضا بأى من مصادر الكربون الأكثر توافرا. وهذا البروموتر يعد

أيضاً من الـ carbon-catabolite-repressed، وتم وصف بدائل من هذا البروموتور تم إزالة الموقع *creA* المثبط لهدم الكربون منها [29].

وتستخدم العديد من الواسمات المختلفة في الانتخاب في التريكويدوما. وغالبا ما تسود الواسمات الانتخابية المقاومة للعقاقير، على سبيل المثال المقاومة للهيجروميسين أو البليوميسين.

وتم أيضا تطوير مجموعة متنوعة من النظم في الخميرة لانتاج الانزيمات، على سبيل المثال الـ *Klyveromyces lactis*, *Hansenula polymorpha*, and *Pichia pastoris* (30). وأحد أهم الاختلافات بين نظم الخميرة والفطريات الخيطية هو أن معظم الخمائر تحتوى على البلازميدات ذاتية التناسخ، أي أنه ليس بالضرورة حدوث اندماج للحمض النووي المنقول في جينوم السلالة المضيفة. الثبات الوراثي الناتج عن استخدام البلازميدات التي تتناسخ ذاتياً عادة يكون أقل بكثير من أن الثبات في حالة الاندماج في كروموسومات العائل المضيف. ولذا يفضل الناقلات التعبيرية التي تندمج في جينوم العائل في الخمائر أيضا. وتم تطوير السلالات المضيفة بطريقة مشابهة الى حد كبير لتلك المستخدمة مع الفطريات الخيطية. ويتم إزالة البروتيز، بصفة خاصة، عن طريق تعطيل الجين. والـ methylotrophic yeasts مثل الـ *Hansenula polymorpha* and *Pichia pastoris* تنتج كميات كبيرة من جينات استخدام الكحول عند التفعيل بالميثانول. وتم تعطيل كل أو بعض هذه الجينات في بعض السلالات المضيفة، أو يتم دمج البلازميد التعبيرى في أحد هذه الجينات عند الحصول على الـ GMM النهائي، وبالتالي تعطيل الجين.

البروموتورز التي تستخدم لقيادة التعبير في الـ methylotrophic yeasts عادة عبارة عن البروموتورز المأخوذة من جينات استخدام الكحول، على سبيل المثال alcohol oxidase 1 or formate dehydrogenase promoter in *Pichia pastoris*, or the methanol oxidase 1 or formate dehydrogenase promoter in *Hansenula polymorpha*. في الـ *Klyveromyces lactis* تم تحديد بروموتور البيتا جلكتوسيديز (LAC4) beta galactosidase promoter كاحد البروموتورز القوية. وفي جميع نظم الخميرة تم تطوير العديد من الواسمات الانتخابية المختلفة، بما في ذلك الواسمات السائدة والخاصة بالعوز الغذائي، وكثيرا ما يستخدم الـ *URA3* marker في الخميرة والمثابه للـ *pyrG*.

التصميم المختار للحصول على الـ GMM لا يتم تحده فقط بمعايير دقة التقنية، على سبيل المثال ارتفاع الناتج وارتفاع درجة النقاوة. بل ان المتطلبات والإجراءات القانونية للموافقة على المنتج أيضا تلعب دورا رئيسيا عند إجراء التصميم.

كما سبق ذكره، يتم عادة تجنب الجينات المسنولة عن مقاومة المضادات الحيوية بسبب القلق من العامة، وربما بسبب التوقع بأن المنتجات المحتوية على جينات المقاومة للمضادات الحيوية قد تكون محظورة في نهاية المطاف. ومن التصميمات الأخرى التي اكتسبت أهمية متزايدة في بعض المناطق، في أوروبا واليابان مثلا، ما يعرف بالـ "self cloning" concept. وأصطلح الـ "self cloning" "الاستنساخ الذاتي" يتفاوت بين المناطق. في الاتحاد الأوروبي ورد هذا التعريف في الـ EU Directive 98/81/EC بالنص التالي:

"الاستنساخ الذاتي يتمثل في إزالة تسلسل الحمض النووي من خلية من كائن حي والذي قد يكون أو لا يكون متبوع بإعادة اندماج كل أو جزء من هذا الحمض النووي (أو ما يعادله أصناعياً) مع أو بدون خطوات أنزيمية أو ميكانيكية مسبقة للخلايا من نفس النوع أو الأنواع الأخرى من الخلايا شديدة القرابة التطورية (phylogenetically closely related) والتي يمكنها أن تتبادل المواد الجينية من خلال العمليات الفسيولوجية الطبيعية، حيث من غير المرجح أن تسبب الكائنات الحية الدقيقة الناتجة المرض للبشر أو الحيوانات أو النباتات. الـ Selfcloning قد يشمل على استخدام ناقلات هجينة لها تاريخ طويل من الاستخدام الآمن في الكائنات الحية الدقيقة بالذات".

وهناك مزايا للمنتج إذا كان يمكن الاستناد إلى الـ "selfcloned" في تقييم الـ GMM. وعملية الموافقة على المنتج والإنتاج باستخدام الـ GMM ربما تكون أسرع وأقل في الإجراءات والمتطلبات القانونية وهي تختلف من بلد إلى

آخر. وفي بعض البلدان، على سبيل المثال ألمانيا وفنلندا، والنمسا، لا تعد الـ GMM "self-cloned" من الكائنات المعدلة وراثياً. وقد يكون لهذا تأثير كبير على متطلبات وضع العلامات المميزة للمنتج اعتماداً على لوائح الاتحاد الأوروبي في المستقبل.

التعامل الوراثي مع نواتج عمليات الأيض يشبه إلى حد كبير ما ذكر عن التعامل مع إنتاج الإنزيمات. ويعتبر تعطيل الجيني من الأدوات الرئيسية في هندسة العمليات الأيضية، كذلك استبدال الجينات، وزيادة التعبير (overexpression) الجيني، على سبيل المثال من خلال زيادة عدد النسخ أو إدخال جينات جديدة. ويعد استبدال الجينات البديل المستخدم لتعطيل الجينات. نتيجة لاستبدال الجينات يتم استبدال الجينات المستهدفة بجين آخر، ويتم ذلك عادة في استراتيجية ثنائية الخطوات مشابهة جداً لاستراتيجية تعطيل الجينات التي سبق وصفها. التحدي الحقيقي في هندسة الأيض هو وضع الاقتراحات لإجراء التغييرات الوراثية، ووضع النماذج التي يمكن من خلالها التنبؤ بنتيجة هذه التغييرات الجينية. عدد الجينات ضخم للغاية وشبكة مسارات التمثيل الغذائي معقدة للغاية بحيث لا يمكن أن تعتمد على التوقعات البسيطة أو طريقة التجربة والخطأ. وتطور نماذج رياضية جنباً إلى جنب مع الأساليب التجريبية في مرحلة ما بعد الجينوم، مثل الـ transcriptomics, proteomics, and metabolomics أدت إلى بزوغ ما يعرف بعلم "بيولوجيا الأنظمة" [31]

ومن الشروط الأساسية لـ "بيولوجيا الأنظمة" إما لتحسين إنتاج الإنزيمات أو بعض مركبات الأيض في الكائنات الحية أن تم معرفة التتابع النيكلوتيدي لجينومها بالكامل بطريقة مفصلة بدرجة كافية. وتسلسل الجينوم للنظم الفطرية المستخدمة لإنتاج الإنزيم أو الأيض إما قد أتيح على التوالى أو سيتم توفيره في وقت قصير. اكتمال تسلسل معظم الجينومات الجينوم لا يزال غير كامل، وسوف يبقى نادراً لسنوات قادمة. على الرغم من أن الـ systems biology تم استخدامه بصورة جيدة بالنسبة للخميرة (*Saccharomyces cerevisiae*) [32] فهو ما زال في مراحله الأولى بالنسبة للفطريات الخيطية. على الرغم من عدم وجود بيانات تسلسل مشروحة بشكل جيد، قد بدأت مجموعة من الأعمال التجريبية لتحسين نظم الـ Aspergillus systems باستخدام الحمض النووي [33]، وتم الإبلاغ عن بعض النظم البيولوجية لتحسين إنتاج بروتينات [34]. ومن المرجح أن تمكن النظم البيولوجية من إنتاج بعض مركبات الأيض الجديدة من الفطريات أو في التحسين الكبير في إنتاج السلالات للمركبات الأيضية وتحسين القدرة على إنتاج الإنزيمات.

4.4. العمليات الانتاجية للإنزيمات الصناعية.

تقريباً جميع منتجات الإنزيمات الصناعية عبارة عن تركيبات من الإنزيمات التي تفرز من الفطريات خلال عمليات التخمير. بعد التخمير تتم إزالة الكتلة الحيوية للفطريات ويتم أسخلاص الإنزيم من البيئة. وتتم إزالة الحمض النووي المعدل وراثياً مع إزالة الكتلة الحيوية للفطريات المعدلة وراثياً والمستخدم في عملية الإنتاج. ويظل فقط الحمض النووي المعدل وراثياً المتحرر إلى بيئة النمو نتيجة لتحلل بعض الخلايا أثناء عمليات التخمير والذي لا يتم التخلص منه أو تحطيمه أثناء عمليات أسخلاص الإنزيمات اللاحقة وعمليات إعداد المستحضرات الإنزيمية على الصورة التجارية موجود في المنتج النهائي. وهذا يعني أن تحليل المنتج النهائي للكائنات المعدلة وراثياً وسوف يعتمد اعتماداً كلياً على عملية الإنتاج. وسوف نقدم هنا موجز لعمليات التخمير الصناعي.

تقليدياً، إنتاج الإنزيمات باستخدام الفطريات الخيطية يعتمد على كل من التخمير السطحي وكذلك عمليات التخمير المغمورة. ويتم إنتاج الإنزيمات اليوم على وجه الحصر تقريباً من عمليات التخمير المغمورة. عمليات التخمير لإنتاج الإنزيمات الصناعية باستخدام الفطريات المعدلة وراثياً تبدأ بعملية التلقيح لقارورة صغيرة تحتوي على بيئة أجار وذلك ببدء من الفطر المعدل وراثياً والمحفوف في أنبوبة حفظ صغيرة. يتم وضع القارورة في حاضنة لتوفير درجة الحرارة المثلى للتجراثيم ثم تنقل الجراثيم لمخمر البادئ (جهاز تخمير صغير يتم به تحضير الكتلة الحيوية اللازمة لعملية التخمير الرئيسية). وعملية تخمير البادئ هذه تمكن الخلايا على التكيف مع البيئة والمواد الغذائية التي ستتم بها في وقت لاحق.

بعد تخمير البادئ يتم نقل الخلايا إلى المخمر الرئيسي، حيث يتم التحكم في درجة الحرارة المثلى بدقة، وكذلك درجة الحموضة، والأوكسجين المذاب لانتاج الانزيمات. ويمكن اجراء عملية التخمير إما على دفعات أو بالصورة المستمرة. في عملية التخمير على دفعات تضاف جميع مكونات بيئة التخمير في بداية عملية التخمير. ويتم التغذية بالفطر مع مزيد من البيئة خلال عملية التخمير. في حالة التخمير المستمر يتم الوصول لمرحلة الثبات أو الاستقرار من خلال الامداد المتواصل بالبيئة الطازجة مع العزل المتواصل من تنكّات النمو. مدى تحلل خلايا الفطر المستخدم يعتمد أساسا على الفطر المعدل وراثياً المستخدم ومدة عملية التخمير وتصميم المخمر نفسه (أي على درجة الإجهاد الكلى الذى سوف تواجه الكتلة الحيوية للفطر). والخطوط العريضة لعملية التخمير النموذجية موضحة في الشكل 4.4. وعندما تكتمل عملية التخمير الرئيسية يشار إلى الخليط من الخلايا، والعناصر المغذية، والإنزيمات، باسم المرق أو الحساء (Broth) والذي يصبح جاهز لعمليات الترشيح والاستخلاص والتنقية والتي يشار إليها مجتمعة التجهيز النهائي.

يتم في البداية فصل الـ Broth الذى يحتوى على الانزيم عن الكتلة الحيوية للفطر ويتحقق ذلك من خلال المعاملات الكيميائية المختلفة للحساء المتخمر لضمان كفاءة الفصل، ويلى ذلك إزالة الكتلة الحيوية باستخدام الطرد المركزي أو الترشيح. بعد فصل يتم تركيز الانزيم عن طريق الأغشية شبه المنفذة أو التبخير. بالنسبة للمنتجات المطلوبة على الصورة عالية النقاوة، تتطلب عملية التجهيز النهائية خطوات خاصة لإزالة الشوائب غير المرغوبها. ويتم ذلك غالبا عن طريق عمليات الترسيب الانتقائية أو الادمصاص للشوائب أو بالتبلور والتي يمكن من خلالها الحصول على الانزيم المنتج بصورة نقية جدا. وفي حالات نادرة قد يستخدم الفصل الكروماتجرافى العمودى والذي يكون مكلف بصورة كبيرة. ويوضح الشكل 4.5 عملية الاستخلاص الانزيمى.

الخطوة النهائية في عملية تجهيز الانزيم المنتج. يمكن وضع الانزيمات المنتجة اما في صورة منتجات سائلة أو على صورة حبيبات اعتمادا على الصور المناسبة لاستخدام هذا المنتج الانزيمى. ومن العمليات الحرجة في عمليات التجهيز ضمان ثبات الأنزيم في المنتج النهائى وعمليات تحرير الأنزيم أثناء الاستخدام، ومنع تكون الغبار الانزيم الذى يمكن أن يسبب الحساسية.

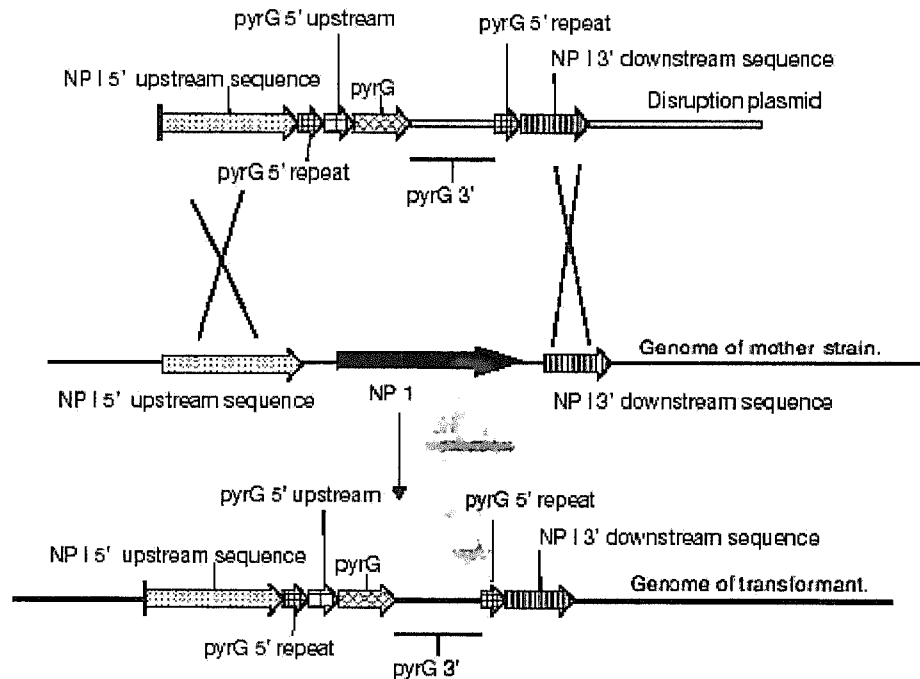


Fig. 4.2 Gene disruption in filamentous fungi. The principle is illustrated by disruption of the gene NP 1. A disruption plasmid was made by replacing the coding part of the NP 1 gene with the selectable marker *pyrG* (orotidine-5'-phosphate decarboxylase). The details of the components involved are described in the main text.

In this example a repeating sequence flanking the *pyrG* selection cassette has been included (*pyrG* 5' repeat). Recombination between the repeats results in the loss of the *pyrG* gene, and so these repeats greatly facilitate selection of a *pyrG* negative strain with a predictable genotype for subsequent gene disruption.

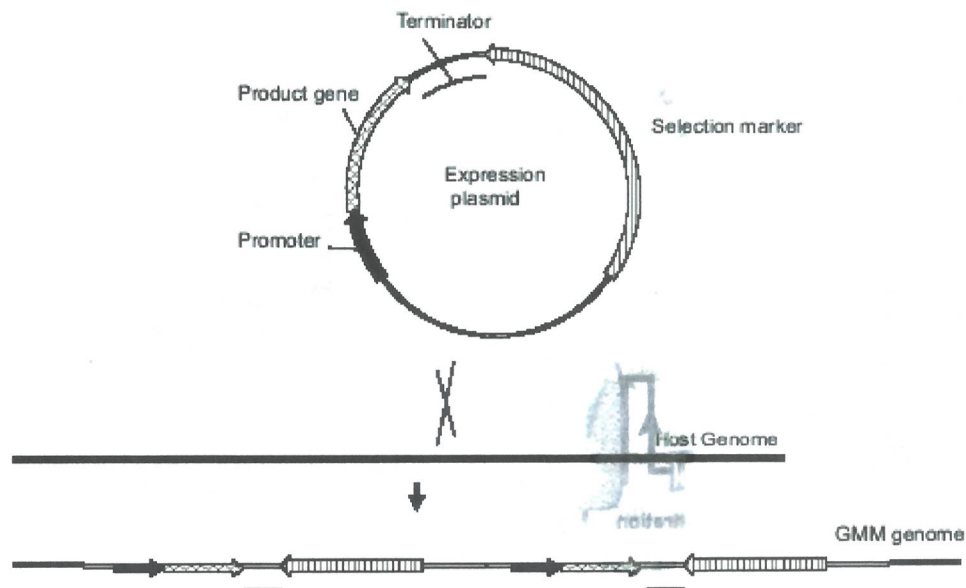


Fig. 4.3 Integration of an expression plasmid into the genome. Tandem integration of an expression plasmid featuring a promoter, a product gene, a terminator, and a selection

marker into the genome of a filamentous fungus is illustrated. The integration shown is a head-to-tail integration in one locus with no further recombination.

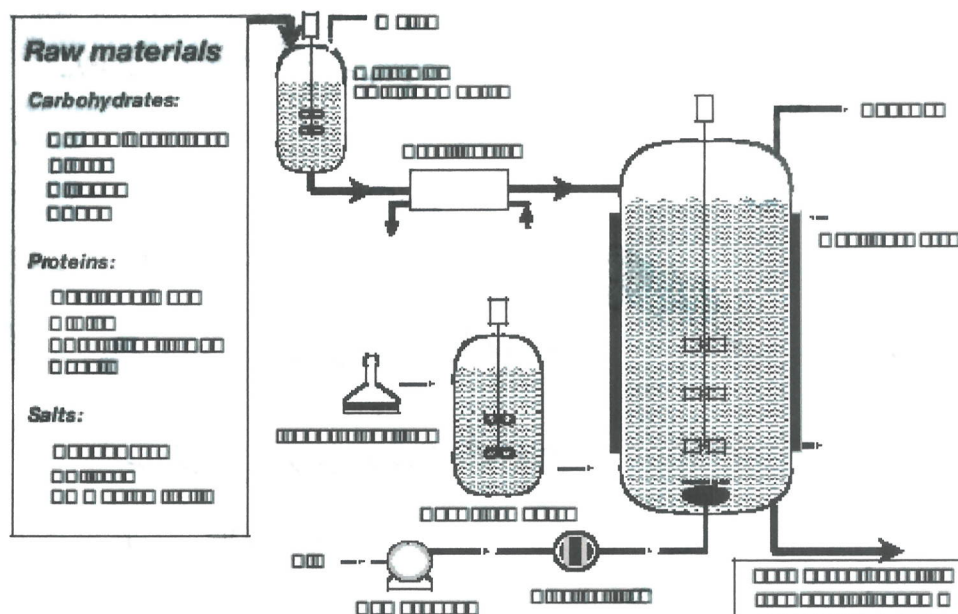


Fig. 4.4 Outline of a fermentation process. A typical process flow is demonstrated. Spores from an inoculation flask are used to inoculate a seed fermenter, and this in turn is used to inoculate the main fermenter.

The fermenter can be aerated, and large propellers in the fermenter stir the fermentation broth. Additional medium components can be prepared and added during fermentation.

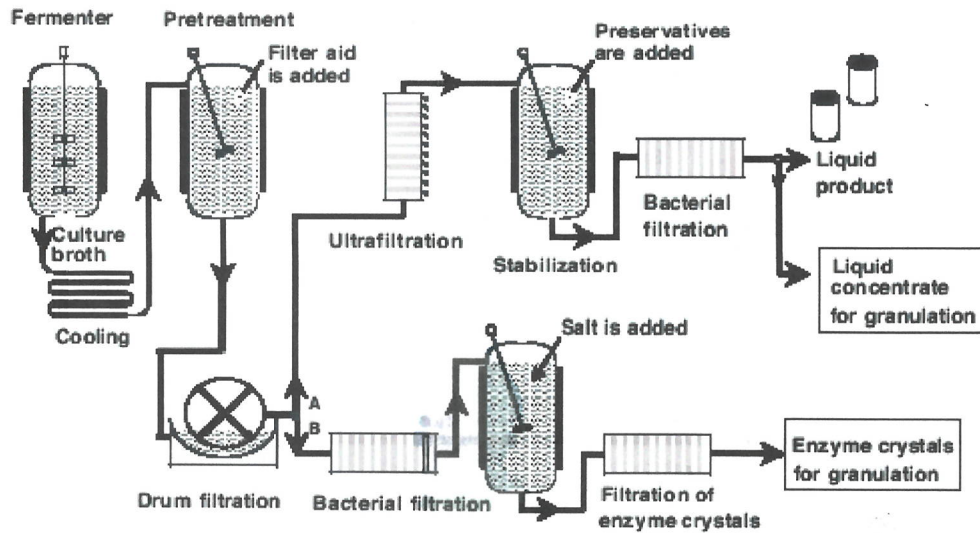


Fig. 4.5 Outline of a recovery process. Typical process flows are shown. The biomass is separated from the broth by filtration.

The broth is then concentrated and sterile filtered. Alternatively the enzyme is recovered by crystallization.

٢- الموقع المعدل

٢- المراجعة المعدة

٣- عدد حبات المعدل المتوزع مساهمة الدم

٤- عدد دوائر المعدل المتوزع

١- إنتاج المنتجات



مكتبة
A to Z