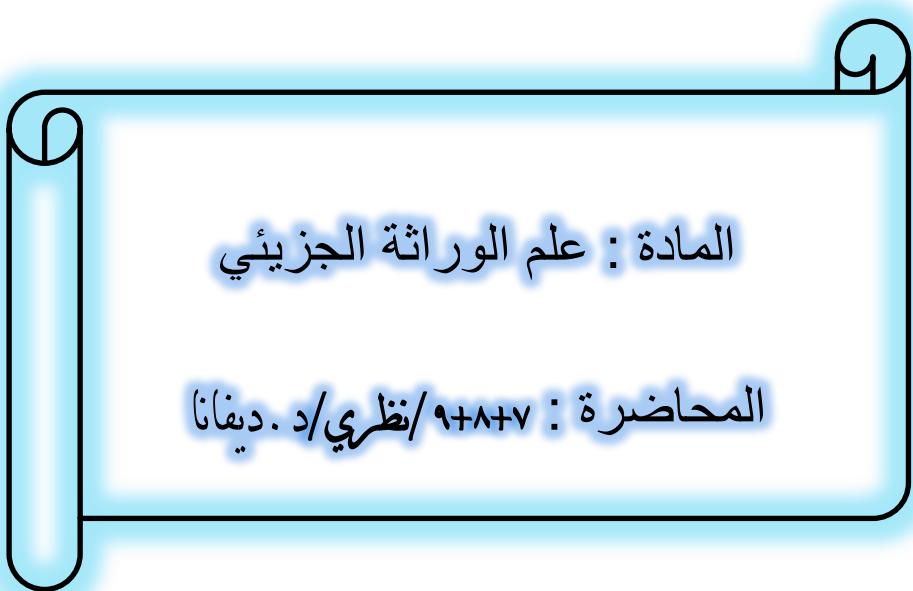




كلية العلوم

القسم : حلم الحياة

السنة : الرابعة



A to Z مکالمہ

Facebook Group : A to Z مكتبة

كلية العلوم ، كلية الصيدلة ، الهندسة التقنية

يمكنكم طلب المحاضرات برسالة نصية (SMS) أو عبر (What's app-Telegram) على الرقم ٠٩٣١٤٩٧٩٦٠

16

المحاضرة السابعة

دعائم المعلومات الوراثية (١)

مقدمة

علم الوراثة علم واسع يشمل عدة فروع مثل الوراثة الماندلية والوراثة الجزيئية والوراثة الكمية وغيرها، إذاً علم الوراثة الجزيئية أحد فروع علم الوراثة وهو مجال فرعي في علم الأحياء حيث يعالج الاختلاف في بنية وتعبير جزيئات الحمض النووي على أنها تباين بين الكائنات الحية. غالباً ما يطبق علم الوراثة الجزيئي نهجاً استقصائياً لتحديد بنية ووظيفة الجينات في جينوم الكائن الحي باستخدام الفحص الجيني. يعتمد مجال الدراسة على دمج العديد من المجالات الفرعية في علم الأحياء مثل الميراث الكلاسيكي المندلي، والبيولوجيا الخلوية، والبيولوجيا الجزيئية، والكيمياء الحيوية، والتكنولوجيا الحيوية. يبحث علماء الوراثة عن الطفرات في الجين أو يحثون الطفرات في الجين لربط تسلسل الجين بنمط ظاهري معين. علم الوراثة الجزيئي هو منهجية قوية لربط الطفرات بالظروف الجينية التي قد تساعد في البحث عن علاجات.

فيما يخص القسم الأول سنتكلم عن المواضيع التالية:

- دعائم المعلومات الوراثية.
- التعبير عن المعلومات الوراثية.
- تنظيم التعبير الجيني.
- الآلية الجزيئية للعبور والارتباط
- الطفرات الوراثية وآلية اصلاح الحمض النووي.

أولاً: دعائم المعلومات الوراثية:

يقدر حالياً عدد الكائنات الحية بحوالي 10 مليون نوع، وكل نوع يختلف عن الآخر، ويرجع هذا الاختلاف إلى محتوى المعلومات الوراثية في كل نوع، ويعتبر علماء الوراثة إن هذه المعلومات الوراثية محمولة على جزيئات محددة سنتعرف عليها لاحقاً. وتتقسم الكائنات الحية إلى مجموعتين: حقيقيات النوى وبدائيات النوى، ونميزها عن بعضها من خلال وجود النواة أو عدم وجودها.

الـDNA، أو deoxyribonucleic acid أي الحمض النووي الريبي منقوص الأكسجين ، هو المادة الوراثية في البشر وجميع الكائنات الحية الأخرى تقريباً. تقريباً كل خلية في جسم الشخص لها نفس الحمض النووي. يقع معظم الحمض النووي في نواة الخلية (حيث يطلق عليه DNA النووي)، ولكن يمكن أيضاً العثور على كمية صغيرة من الحمض النووي في الميتوكوندриا حيث يطلق عليه DNA الميتوكوندриا أو . mtDNA

نظراً لأهمية الـDNA لابد من إلقاء الضوء على تركيبه والتعرف على أهم الوظائف الحيوية الأساسية التي يقوم بها.

ضمن هذا الإطار سنتحدث عن النقاط التالية:

1. التركيب الكيميائي لـDNA.
2. هيكل الـDNA.
3. اشكال الـDNA.
4. الخصائص الفيزيائية والكيميائية لـDNA.
5. RNA.
6. تضاعف الـDNA أو replication of DNA.

► الترکیب الكیمیائی لـ DNA.

يحتوي الحمض النووي DNA على ثلاثة أنواع من المكونات الكيميائية: الفوسفات، وسكر يسمى أرباع قواعد نيتروجينية، **deoxyribose**.

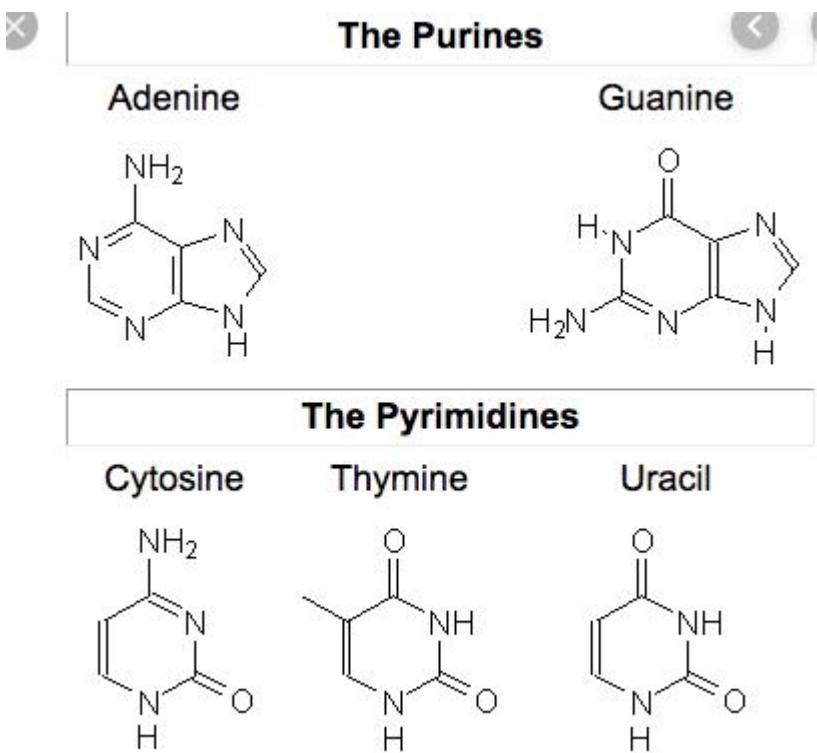
▪ القواعد الأزوتية أو النيتروجينية:

القاعدة النيتروجينية هي جزءٌ عضويٌ يحتوي على عنصر النيتروجين ويُعمل كقاعدة في التفاعلات الكيميائية. تُشتق الخاصية الأساسية لها من زوج الإلكترون الواحد على ذرة النيتروجين.

تسمى قواعد النيتروجين أيضًا القواعد النووية لأنها تلعب دوراً رئيسياً في بناء الأحماض النووية (DNA) و (RNA)

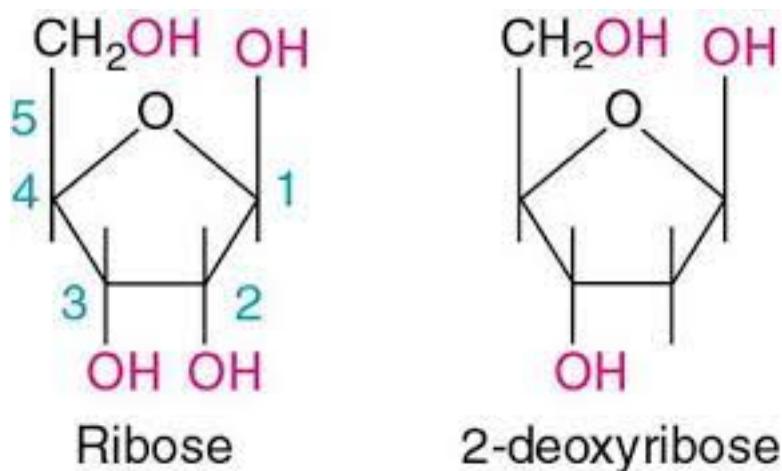
على الرغم من وجود العديد من القواعد النيتروجينية، فإن أهم خمس قواعد يجب معرفتها هي القواعد الموجودة في DNA و RNA ، والتي تُستخدم أيضًا كنقلات للطاقة في التفاعلات الكيميائية الحيوية و هي الأدينين ، الجوانين ، السيتوزين ، الثايمين ، واليوراسيل. كل قاعدة لها ما يعرف بالقاعدة التكميلية التي ترتبط بها حصرياً لتشكيل DNA و RNA.

اثنان من القواعد، الأدينين والجوانين، لهما بنية ذات حلقة مزدوجة مميزة لنوع من المواد الكيميائية تسمى القاعدتان الأخرىتان، السيتوزين والثايمين ، لهما هيكل أحدى الحلقة من نوع *purine* يسمى *pyrimidine* . الشكل رقم (١).



الشكل رقم (١): اشكال القواعد الأزوتية الخمسة الموجودة في الاحماس النووي.

- المكون الثاني هو جزء السكر يدعى ريبوز منقوص الأكسجين (Deoxyribose) وهو يتكون من 5 ذرات كربون. الفرق بين ribose الموجود في RNA و deoxyribose الموجود في DNA هو أن الريبيوز يحتوي على مجموعة هيدروكسيل عند ذرة الكربون رقم ٢ . الشكل رقم (٢).



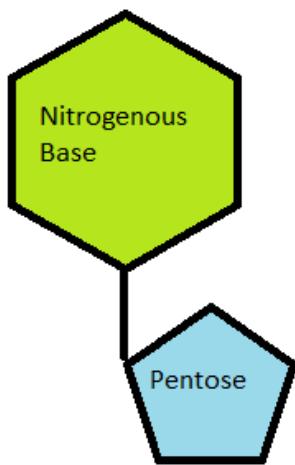
الشكل رقم (٢): الفرق بين الريبيوز الموجود في RNA و deoxyribose الموجود في DNA

- المكون الثالث هو الفوسفات: مجموعة الفوسفات المثالية لربط مركبين مع بعضهما.

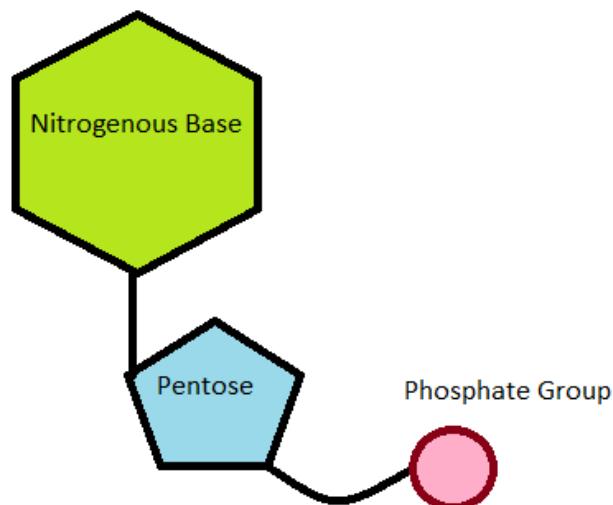
يتم ارتباط السكر مع أحد القواعد الأزوتية لينتاج لدينا ما يسمى nucleoside، وإذا تم إضافة مجموعة فوسفات إلى nucleoside نحصل على جزيء يسمى nucleotide والتي تشكل اللبنات الأساسية في تركيب DNA. الشكل رقم (٣)

من الملائم الإشارة إلى كل نكليوتيد بالحرف الأول من اسم قاعده: A و G و C و T. يوضح الشكل رقم (٤) هيكل النكليوتيدات الأربع في DNA.

Nucleoside

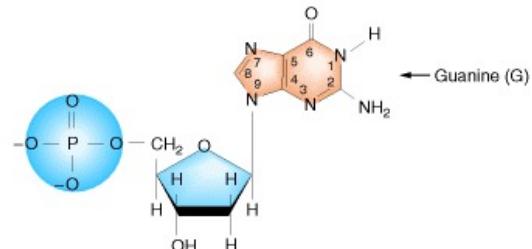
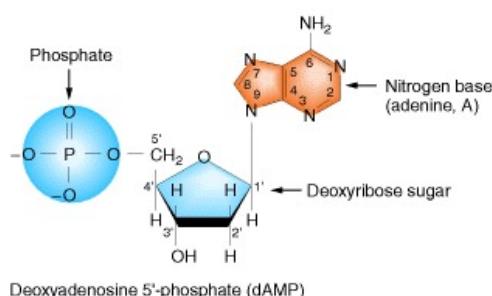


Nucleotide

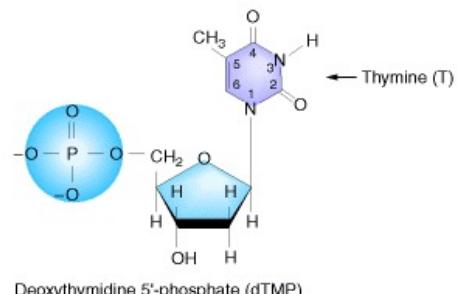
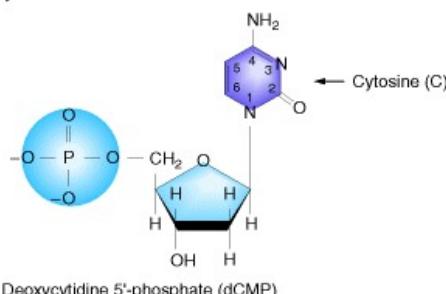


الشكل رقم (٣): الفرق بين nucleotide و nucleoside

Purine nucleotides



Pyrimidine nucleotides

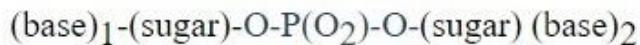
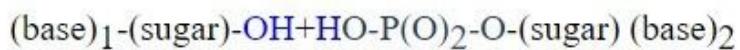


الشكل رقم (٤): أشكال nucleotides الموجودة في DNA

DNA هيكل 2

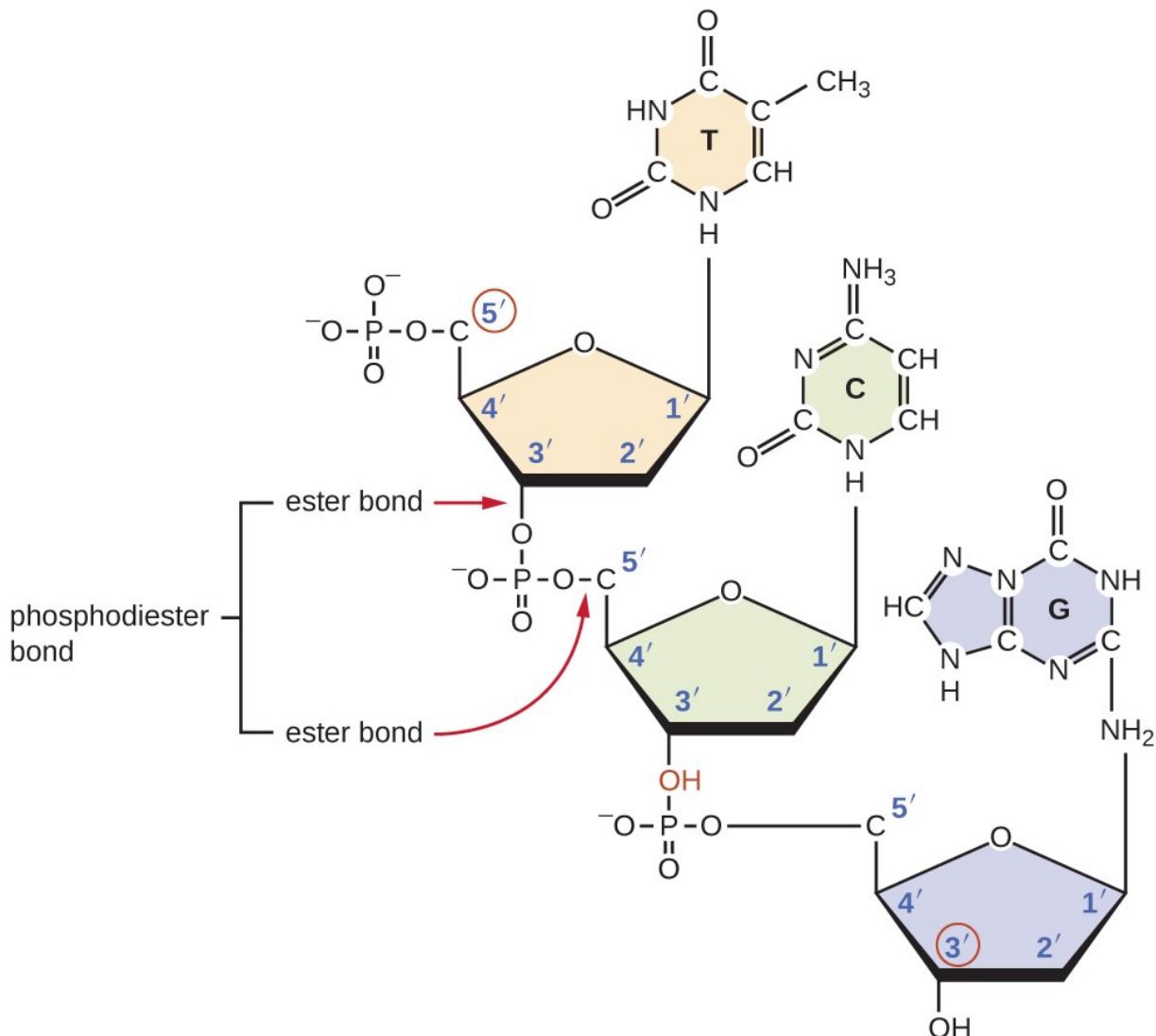
يتكون الحمض النووي من سلسلتين متجاورتين ("خيوط") من النكليوتيدات الملتوية على شكل حلزون مزدوج.

يتم تثبيت خيوط النكليوتيدات وفق روابط ضعيفة بين قواعد كل خيط، وتشكل بنية مثل الدرج الحلزوني. العمود لكل شريط هو بوليمر مكرر من فوسفات- deoxyribose وقاعدة آزوتية. تسمى روابط السكر والفوسفات في هذا العمود روابط **phosphodiester** وهي روابط تساندية. تتكون روابط الفوسفوديستر نتيجة تفاعل التكتيف بين مجموعات الفوسفات ومجموعات الهيدروكسيل لمجموعتي سكر الذي يفقد فيه جزيء ماء كما في (الشكل ٥).



الشكل رقم (٥) تشكل روابط **Phosphodiester**

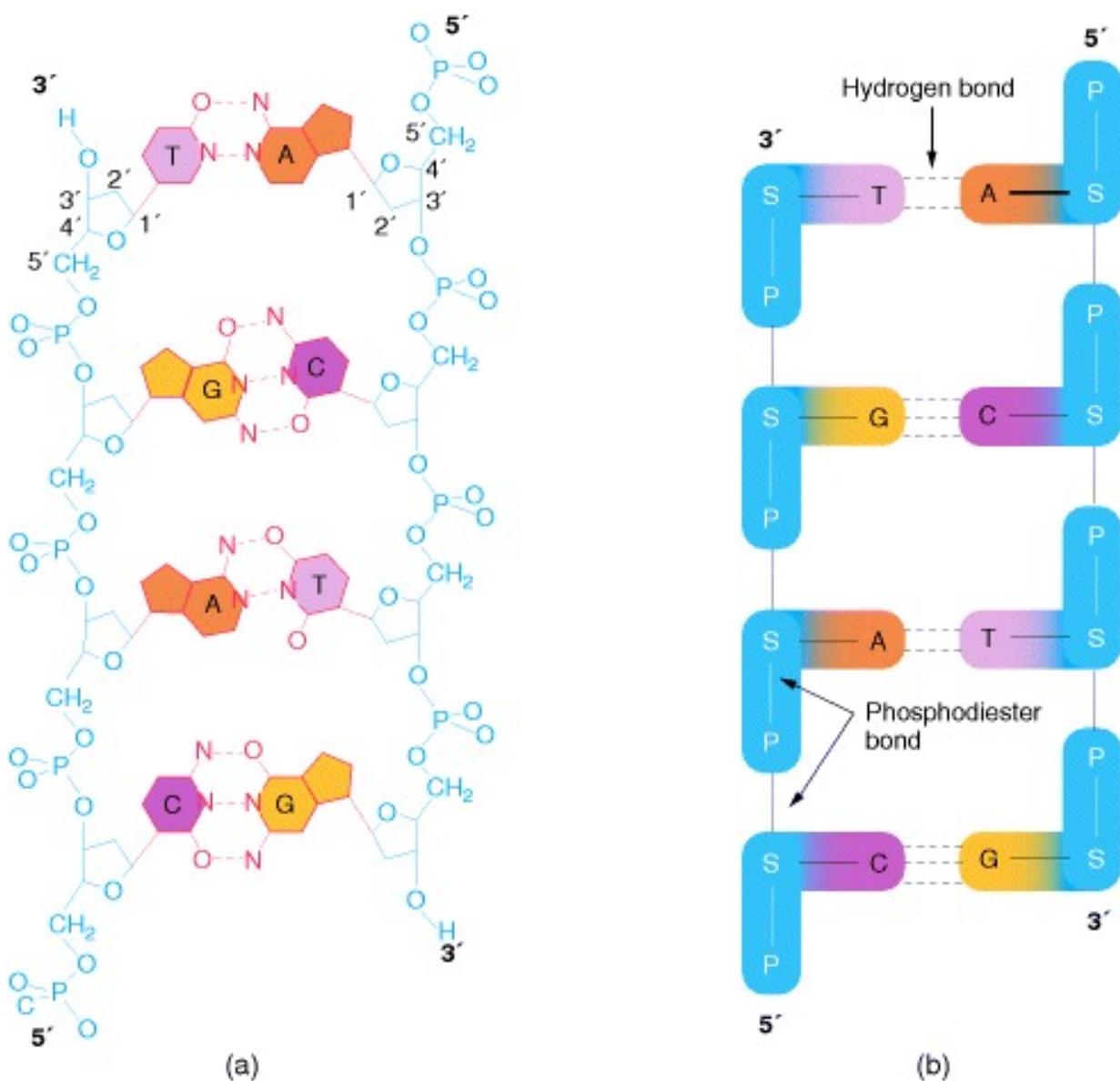
بعد ارتباط روابط **phosphodiester** بمجموعات السكر أمراً مهماً في وصف الطريقة التي يتم بها تنظيم سلسلة النيوكليوتيدات. لاحظ أن كربون مجموعات السكر مرقمة من 1 إلى 5. يقع جزء واحد من رابطة سلاسل النيوكليوتيدات بين الفوسفات وذرة الكربون '5 من **deoxyribose**، والأخر بين الفوسفات و'3 كربون من **deoxyribose**. وبالتالي، يُقال إن كل عمود من السكر والفوسفات له قطبية $5' \rightarrow 3'$ ، وفهم هذه القطبية ضروري لفهم كيفية قيام الحمض النووي بأدواره الشكل رقم (٦)



الشكل رقم (٦): أنواع الروابط الكيميائية التي تحويها كل nucleotide

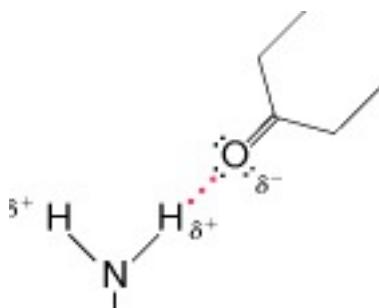
في جزء DNA مزدوج الشريط، يكون العمودان أو الشريطان في اتجاه معاكس ، كما هو موضح في (الشكل ٧). شريط موجه $5' \rightarrow 3'$ ، والشريط الآخر بالاتجاه المعاكس $3' \rightarrow 5'$.

ترتبط القواعد بذرة الكربون رقم ١ لكل سكر **deoxyribose** في كل شريط. ويجب ان نركز على ان النهاية $3'$ هي زمرة هيدروكسيل ، والنهاية $5'$ هي مجموعة فوسفات . التفاعلات بين أزواج القواعد، واحدة من كل خيط هي التي تربط خيطي جزء الحمض النووي معًا. ترتبط القواعد الازوتية مع بعضها وفق الروابط الهيدروجينية: A مع T و G مع C .



الشكل رقم (٧): على اليسار شريطي الـ DNA حيث أن كل شريط مكون من عدد من النكليوتيدات ويوضح أيضا اتجاه الأشرطة، وعلى اليسار يوضح نوع الروابط الكيميائية الموجودة على كل شريط او سلسلة وبين السلاسلتين ايضا

الروابط الهيدروجينية بين القواعد التكميلية هي إحدى الخصائص الأساسية للحذون المزدوج، لأنها تضمن الاستقرار الديناميكي الحراري للحذون وخصوصية الاقتران. تتكون الرابطة الهيدروجينية بين ذرة أو مجموعة مانحة للهيدروجين موجبة الشحنة ومستقبل آخر سالب الشحنة (الشكل ٨) ، في الحمض النووي ، تعمل الرابطة الهيدروجينية على تثبيت أزواج قواعد الحذون المزدوج.



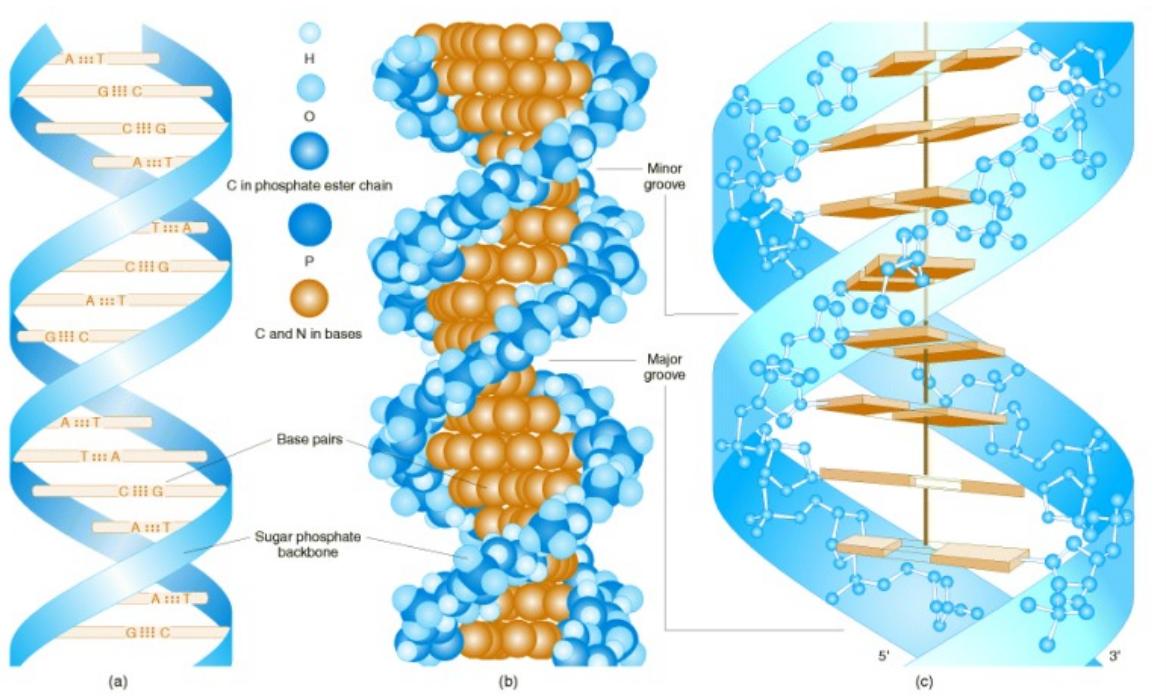
الشكل رقم (٨): تشكيل الرابطة الهيدروجينية

نظراً لأن زوج C · G يحتوي على ثلاثة روابط هيدروجينية، بينما يحتوي زوج T · A على اثنين فقط، فقد تتوقع أن الحمض النووي الذي يحتوي على العديد من أزواج C · G سيكون أكثر استقراراً من الحمض النووي الذي يحتوي على العديد من أزواج T · A. في الواقع، تم تأكيد هذا التوقع. تؤدي الحرارة إلى فصل خيطي الحلزون المزدوج للحمض النووي (عملية تسمى ذوبان الحمض النووي أو تمسخ الحمض النووي)، وقد تم إثبات أن الحمض النووي الذي يحتوي على محتوى أعلى من C · G يتطلب درجات حرارة أعلى لصهرها.

على الرغم من ضعف الروابط الهيدروجينية بشكل فردي، إلا أن خيوط جزيء الحمض النووي متماضكة معًا بطريقة مستقرة نسبيًا بسبب وجود أعداد هائلة من هذه الروابط. من المهم أن ترتبط الخيوط من خلال مثل هذه التفاعلات الضعيفة، حيث يجب فصلها أثناء نسخ أو مضاعفة الحمض النووي وأثناء النسخ إلى الحمض النووي الريبي.

شريطي النكليوتيدات المترنة تميل إلى تكوين شكل حلزونيًّا (لولب مزدوج) بشكل تلقائي. تراكم أزواج القواعد فوق بعضها البعض في مركز اللولب المزدوج وهذا التراص يضيق ثبات جزيء الحمض النووي عن طريق استبعاد جزيئات الماء من الفراغات بين أزواج القواعد الأذوتية. تتجه القواعد النيتروجينية نحو الجزء الداخلي للجزيء ولكنها تظل في متناول المذيب من خلال الأحاديد الصغيرة والكبيرة (minor and major groove).

(٩). الشكل رقم (٩). major groove



الشكل رقم (٩): يوضح تراص القواعد فوق بعضها واتجاهها باتجاه الداخل مع تشكيل اخدودين صغير وكبير

المحاضرة الثامنة

دعائم المعلومات الوراثية (٢)

DNA-أشكال

كما ذكرنا سابقاً تقوم سلسلتا ال DNA بتشكيل بنية حلزونية أو لولبية يتم لفها حول محور وهمي، قد يكون اتجاه لف الحلزون باتجاه اليسار أو باتجاه اليمين. هناك العديد من البنيات الحلزونية المكتشفة حتى الآن. يعتمد الشكل الذي يتبعه الحمض النووي مزدوج الشريطة على درجة ترتيبه، وتسلسله، ومعدل الالتفاف الحلزوني، والتعديلات الكيميائية للقواعد التي يتكون منها، وطبيعة وتركيب أيونات المعادن في محلول. حتى الآن تم اكتشاف ٦ أشكال لحلزون ال DNA أهمها ثلاثة أشكال سنتحدث عنها في فقرتنا هذه (A,B,Z)، ويجب الإشارة إلى أن فقط الشكلين A,B تمت ملاحظتهما في الخلية الحية أما الأشكال الأخرى فقد تم رؤيتها في ظروف تجريبية محددة.

B-form DNA

هو الشكل الأكثر شيوعاً لحلزون المزدوج في ظل الظروف الفسيولوجية الطبيعية في الخلايا الحية. وهو يتوافق مع الشكل الذي وصفه Watson and Crick في عام 1953. الشكل B هو حلزون مستقيم ذو دوران يميني، مع أزواج قاعدية عمودية على محور اللولب وتمر عبر مركز الاقتران. يبلغ طول دورة واحدة من اللولب حوالي 3.4 نانومتر وتحتوي في المتوسط على 10.4 إلى 10.5 أزواج قاعدية، القطر يبلغ 2.0 نانومتر. يبلغ عرض الأحاديد في هذا التكوين 2.2 نانومتر للكبير و 1.2 نانومتر للصغير.

رغم أن الهيئة B هي الأكثر شيوعاً في الظروف الموجودة داخل الخلايا إلا أنها ليست هيئة محددة بدقة وإنما عائلة متقاربة من هيئات الدنا التي تظهر في حالات الرطوبة العالية الموجودة داخل الخلايا الحية.

الشكل رقم (١٠)

A-form DNA

يُلاحظ الحمض النووي A في عينات الحمض النووي التي تكون رطبة نسبياً، وبقوة أيونية عالية، وفي وجود الإيثanol. إنه حلزون مزدوج مستقيم ومحوره لا يمر عبر أزواج القاعدة. هذا اللولب المزدوج أعرض من الشكل B، ويبلغ قطره 2.3 نانومتر وطول اللفة الواحدة يبلغ 2.86 نانومتر وتحوي 11 زوجاً قاعدياً. مقارنة بالدنا B فإن الدنا A له قطر أكبر ويميني الاتجاه كذلك، وله ثلم صغير سطحي وعریض وثلم كبير أضيق وأعمق، تظهر هذه الهيئة في الظروف غير الفيسيولوجية في عينات الدنا المحففة جزئياً. الشكل رقم (١٠)

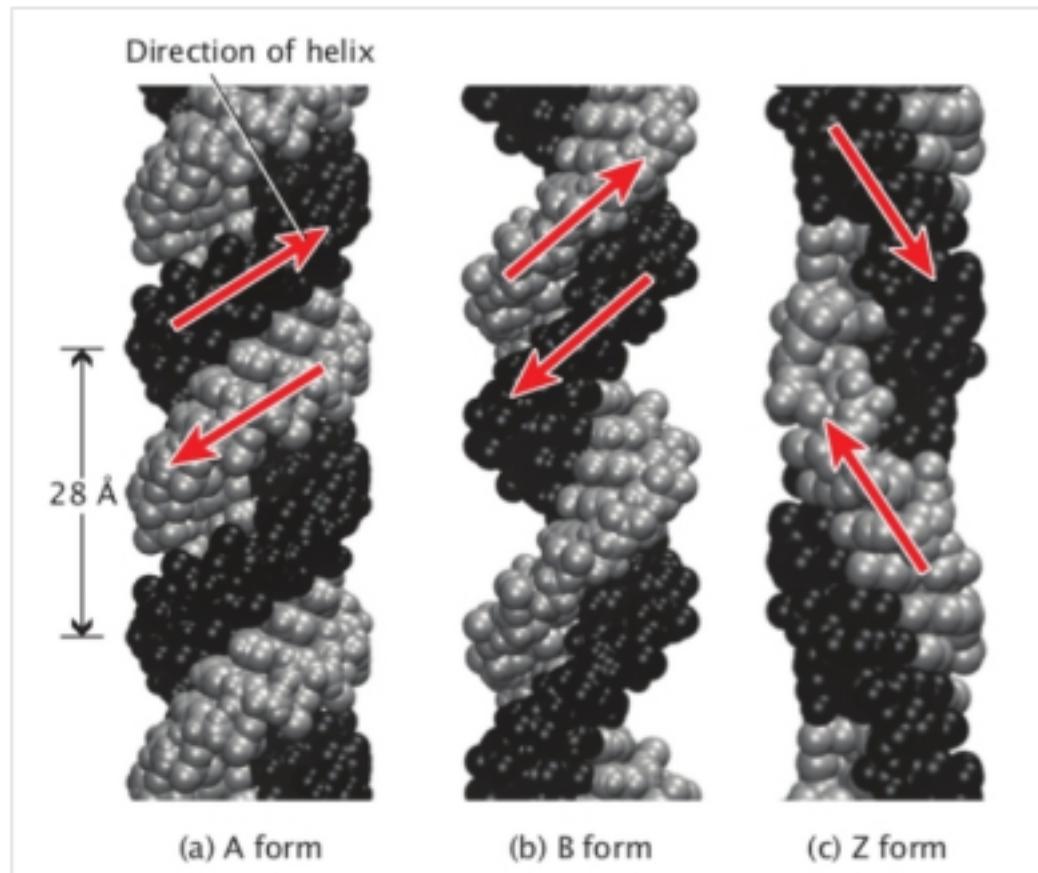
Z-form DNA

يعتبر Z DNA أكثر تقييداً من الشكلين A و B من الحمض النووي ويتم ملاحظة غناه بأزواج الجوانين والسيتوزين. إنه حلزون مزدوج يسارِي الالتفاف، ينحرف محوره بشكل كبير عن أزواج القاعدة. هذا اللولب المزدوج أضيق من الشكلين السابقين، ويبلغ قطره حوالي 1.8 وطول الدورة حوالي 4.56nm وله 12 زوجاً أساسياً لكل لفة من اللولب. شكله متعرج ويحوي ثلم واحد. قد يشارك في تنظيم التعبير عن بعض الجينات أو في إعادة التركيب الجيني. يمكن العثور عليه في البكتيريا وحققيات النوى والفيروسات. الشكل رقم (١٠)

• الخصائص الهيكلية لأشكال الدنا الرئيسية الثلاث للولب المزدوج^[71]

خصائص	<u>A -DNA</u>	<u>B -DNA</u>	<u>Z -DNA</u>
اتجاه اللولب المزدوج	يمين	يمين	يسار
عدد الأزواج القاعدية لكل دورة للولب المزدوج	11	10,5	12
السن اللولبي للولب المزدوج لكل دورة	نانومتر 2.82	نانومتر 3.32	نانومتر 4.56
القطر	نانومتر 2.3	نانومتر 2.0	نانومتر 1.8

الجدول رقم (١) الخصائص الهيكلية لأشكال الدنا الرئيسية الثلاث للولب المزدوج



الشكل رقم (١٠): الاشكال الثلاثة لحلزون الـ DNA

4- الصفات الفيزيائية والكيميائية لـ DNA

١- (فساد الـ DNA) (DNA denaturation)

الروابط الهيدروجينية والتفاعلات الكارهة للماء التي تحافظ على بنية اللولب المزدوج هي قوى ضعيفة ويمكن لكميات صغيرة نسبياً من الطاقة أن تفصل بين السلاسلتين بعملية تسمى الذوبان أو الانصهار أو افساد DNA.

ومن الجدير ذكره هنا إن عملية افساد الـ DNA لا تعتمد فقط على محتواه من الروابط الهيدروجينية بين القواعد فقط وإنما تعتمد أيضاً على طول DNA، حيث كان كلما كان الجزء طويلاً كان أكثر استقراراً (Tm: melting temperature) يمكن قياس الاستقرار بطرق عديدة، أشهرها هي درجة حرارة الذوبان وهي درجة حرارة تتحول فيها 50% من الجزيئات مزدوجة السلسل إلى جزيئات منفردة للسلسل، وتعتمد درجة حرارة الذوبان على قوة الأيونات وتركيز الـ DNA ، كما إن وجود البروتين يؤثر على هذه الدرجة، ويساهم أنواع أزواج القواعد في تحديد هذه الدرجة حيث أن السلسل الطويلة الغنية بـ CG والتي لديها محتوى كبير من الروابط الهيدروجينية الثلاثية تترابط سلاسلها بشكل قوي وبالتالي درجة انصهارها على عكس السلسل الغنية بـ AT والتي يربطها روابط هيدروجينية ثنائية.

عند الوصول إلى درجة حرارة الذوبان تتفصل السلاسلتان وتتبقيان في محلول كجزئيين مستقلين دون أن يكون لهما بنية واضحة أو مألوفة.

تعد Tm وإعادة تشكيل أو التحام السلاسلتين مع بعضهما الأساس في العديد من العمليات البيولوجية الهامة مثل النسخ وتضاعف الـ DNA وغيرها...

يمكن أيضًا استخدام denaturation of DNA للكشف عن اختلافات التسلسل بين تسلسلين مختلفين من الـDNA . يتم تسخين الحمض النووي وتحوילه إلى مفرد السلسلة، ويتم تبريد الخليط للسماح بإعادة تهجين الحيوط. تتشكل الجزيئات الهرجينة بين تسلسلات متشابهة، وأي اختلافات بين تلك التسلسلات ستؤدي إلى تعطيل الاقتران الأساسي. على نطاق الجينوم، تم استخدام هذه الطريقة من قبل الباحثين لتقدير المسافة الجينية بين نوعين، وهي عملية تعرف باسم تهجين DNA-DNA ، ولكن تبقى دراسة تسلسل الحمض النووي بشكل عام طريقة أكثر دقة بالنسبة لمعرفة القرابة بين الأنواع. تُستخدم عملية ذوبان الحمض النووي أيضًا في تقنيات البيولوجيا الجزيئية، ولا سيما في تفاعل البلمرة المتسلسل PCR كما سنرى في الجزء العملي..

ويجب الإشارة إلى إن انفصال سلسلتا الـDNA يمكن أن تحدث بواسطة عوامل أخرى غير الحرارة مثل بعض المواد الكيميائية، ومن الضروري معرفة إن افساد الـDNA هي عملية عكسيّة، أي بمجرد عودة الظروف الطبيعية فإن السلسنان تعودان للاتحاد مع بعضهما بعکس عملية افساد البروتين الغير رجعية.

٢- خاصية امتصاص الأشعة فوق البنفسجية

خاصية امتصاص البيورينات والبيريميدين في الأشعة فوق البنفسجية عند 260 نانومتر والبروتينات عند 280 نانومتر تجعل من الممكن قياس الأحماض النووية، وكذلك تقدير تلوث البروتين لـDNA .
بشكل عام، يعتبر نقائص محلول الحمض النووي مقبولاً عندما تكون نسبة 260nm /280nm بين 1.8 - 2.0 . RNA وبين 2.0 - 2 ، للحمض النووي الريبي DNA

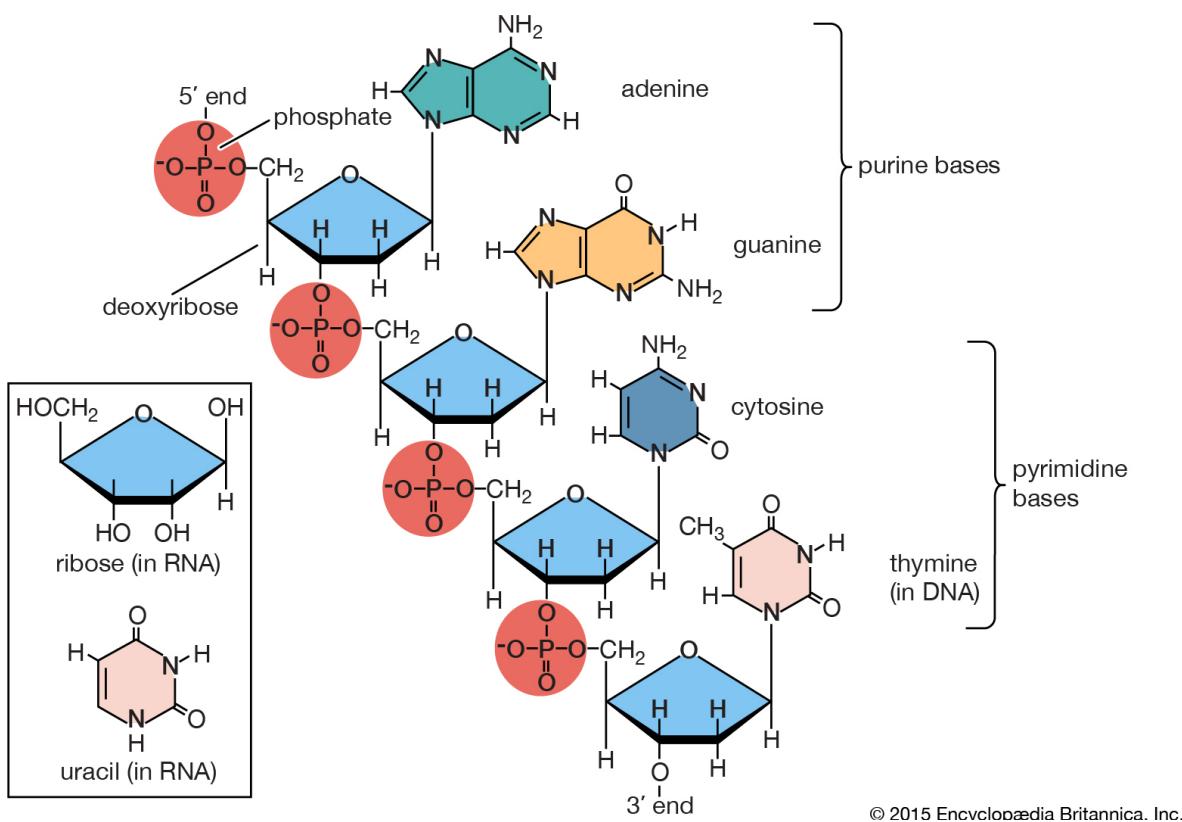
Ribonucleic acid :RNA

الحمض النووي الريبي RNA هو جزء مشابه لـ DNA ، وهو مركب معقد ذو وزن جزيئي مرتفع يعمل في تخلق البروتين الخلوي ويحل محل DNA كحامل للرموز الجينية في بعض الفيروسات. يتكون الحمض النووي الريبي من نيوكلويونات الريبيوز (قواعد نيتروجينية ملحة بسكر الريبيوز) مرتبطة بروابط فسفودايستر ، وتشكل خيوطاً ذات أطوال متفاوتة. القواعد النيتروجينية في الحمض النووي الريبي هي الأدينين والجوانين والسيتوzin والبيوراسيل، والتي تحل محل الثنائيين في الحمض النووي وعلى عكس الحمض النووي، فإن الحمض النووي الريبي أحدى السلسلة..

تستخدم الخلية RNA في عدد من المهام المختلفة، حيث إن mRNA أو messenger RNA يحمل معلومات الحمض النووي الذي ينقل المعلومات من الجينوم ويتترجمها إلى بروتينات أما الحمض النووي الريبي الناقل هو جزيئات الحمض النووي الريبي، غير المشفرة للبروتين والتي تحمل فيزيائياً الأحماض الأمينية إلى موقع الترجمة الذي يسمح بتجميعها في سلاسل من البروتينات في عملية الترجمة.

إن وجود مجموعة هيدروكسيل تفاعلية كيميائياً (- OH) مرتبطة بمجموعة الكربون الثانية في جزء سكر الريبيوز يجعل الحمض النووي الريبي عرضة للتحلل المائي. يعتقد أن قابلية الحمض النووي الريبي الكيميائية هذه، مقارنة بالحمض النووي، التي لا تحتوي على مجموعة - OH تفاعلية في نفس الموضع على جزء السكر (deoxyribose)، هي أحد أسباب تطور الحمض النووي ليكون الناقل المفضل للمعلومات الجينية في معظم الكائنات الحية. تم وصف بنية جزء الحمض النووي الريبي عام 1965.

الشكل رقم (١١)



الشكل رقم (١١): تركيب الـRNA

أنواع ووظائف الحمض النووي الريبي RNA

من بين الأنواع العديدة من الحمض النووي الريبي، فإن الأنواع الثلاثة الأكثر شهرة والأكثر شيوعاً التي تمت دراستها هي (mRNA)، والحمض النووي الريبي الناقل (t RNA) ، والحمض النووي الريبوزومي ، الموجود في جميع الكائنات الحية. تقوم هذه الأنواع وأنواع أخرى من الحمض النووي الريبي في المقام الأول بتفاعلاته كيميائية حيوية تشبه الإنزيمات. ومع ذلك، فإن بعضها له أيضاً وظائف تنظيمية معقدة في الخلايا. نظراً لمشاركتها في العديد من العمليات التنظيمية، وبسبب وفرتها ووظائفها المتنوعة لها أدواراً مهمة في كل من العمليات الخلوية الطبيعية والأمراض.

في تخلق البروتين، يحمل mRNA الرموز الجينية من الحمض النووي في النواة إلى الريبيوزومات ، وهي موقع ترجمة البروتين في السيتوبلازم. تتكون الريبيوزومات من RNA الريبيوزومي والبروتين.

وهناك نوع صغير من RNA غير مشفر يدعى miRNAs أو ميكرو RNA لها أهمية خاصة. يبلغ طولها حوالي 22 نيوكلويtid و تعمل في تنظيم الجينات في معظم حقيقيات النوى. يمكن أن تسبب باسكات التعبير الجيني لبعض الجينات عن طريق الارتباط بالـ mRNA المستهدف وتثبيط الترجمة، وبالتالي منع إنتاج البروتينات الوظيفية. تلعب العديد من الجزيئات المجهرياً أدواراً مهمة في الإصابة بالسرطان وأمراض أخرى.

وهناك RNA الدائري (CircRNA) حيث أن نهايته 5 و 3 مرتبطة بعضهما البعض ، مما يخلق حلقة. يتم إنشاء الجزيئات الحلقة من العديد من جينات الخاصة، ولهذه الأخيرة وظائف تنظيمية.

نهاية المحاضرة الثانية

المحاضرة التاسعة

دعائم المعلومات الوراثية (٣)

تضاعف الـ DNA أو Replication of DNA

مقدمة:

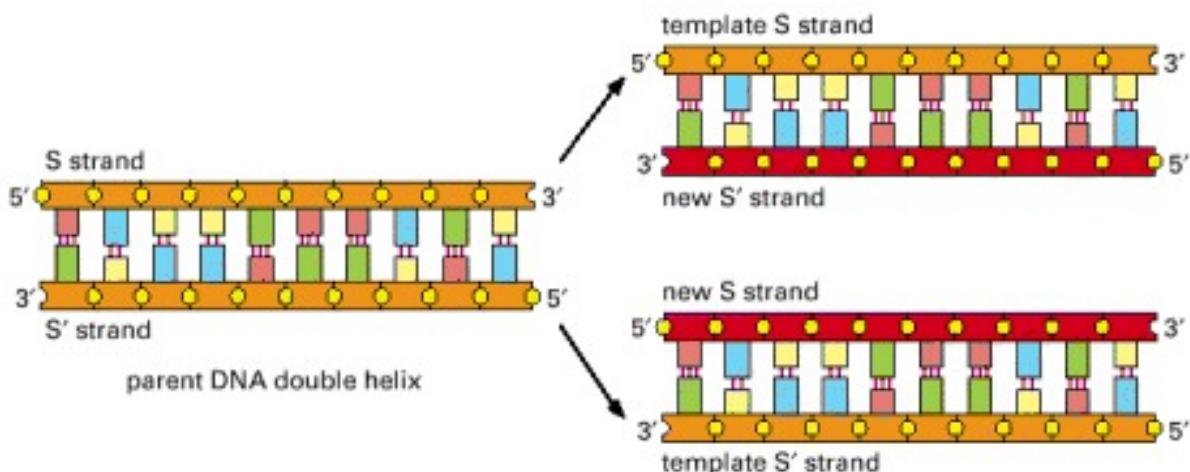
تضاعف الحمض النووي هو العملية التي يتم من خلالها نسخ جزء DNA مزدوج الشريط لإنتاج جزيئين متطابقين من الحمض النووي. يعد النسخ عملية أساسية لأنها عندما تتقسم الخلية، يجب أن تحتوي الخلية على مكونات متطابقة من الحمض النووي، مثل الحمض النووي، مثل الخلية الأم.

تعتمد عملية التضاعف على حقيقة أن كل خيط من الحمض النووي يمكن أن يعمل ك قالب للنسخ. يبدأ نسخ الحمض النووي في نقاط محددة، تسمى الأصول، حيث يتم حل اللولب المزدوج للحمض النووي. في البداية يلتصق RNA يسمى البادئ ب أحد سلاسل الـ DNA ، ويعمل كنقطة انطلاق لتخليق الحمض النووي الجديد. يبدأ إنزيم يسمى DNA polymerase بعد ذلك في نسخ الحمض النووي عن طريق إضافة قواعد آزوتية حرة. بمجرد اكتمال التوليف، يتم استبدال RNA ب DNA، ويتمسد أي فجوات بين مقاطع الحمض النووي المصنعة حديثاً بمساعدة بعض الإنزيمات.

بعد تضاعف الحمض النووي عملية حاسمة؛ لذلك ولضمان عدم حدوث أخطاء أو طفرات، تقوم الخلية بمراجعة الحمض النووي المركب حديثاً. بمجرد التأكد من صحة الحمض النووي المنسوخ في الخلية، يمكن للخلية أن تتقسم إلى خليةتين، كل منها لها نسخة متطابقة من الحمض النووي الأصلي.

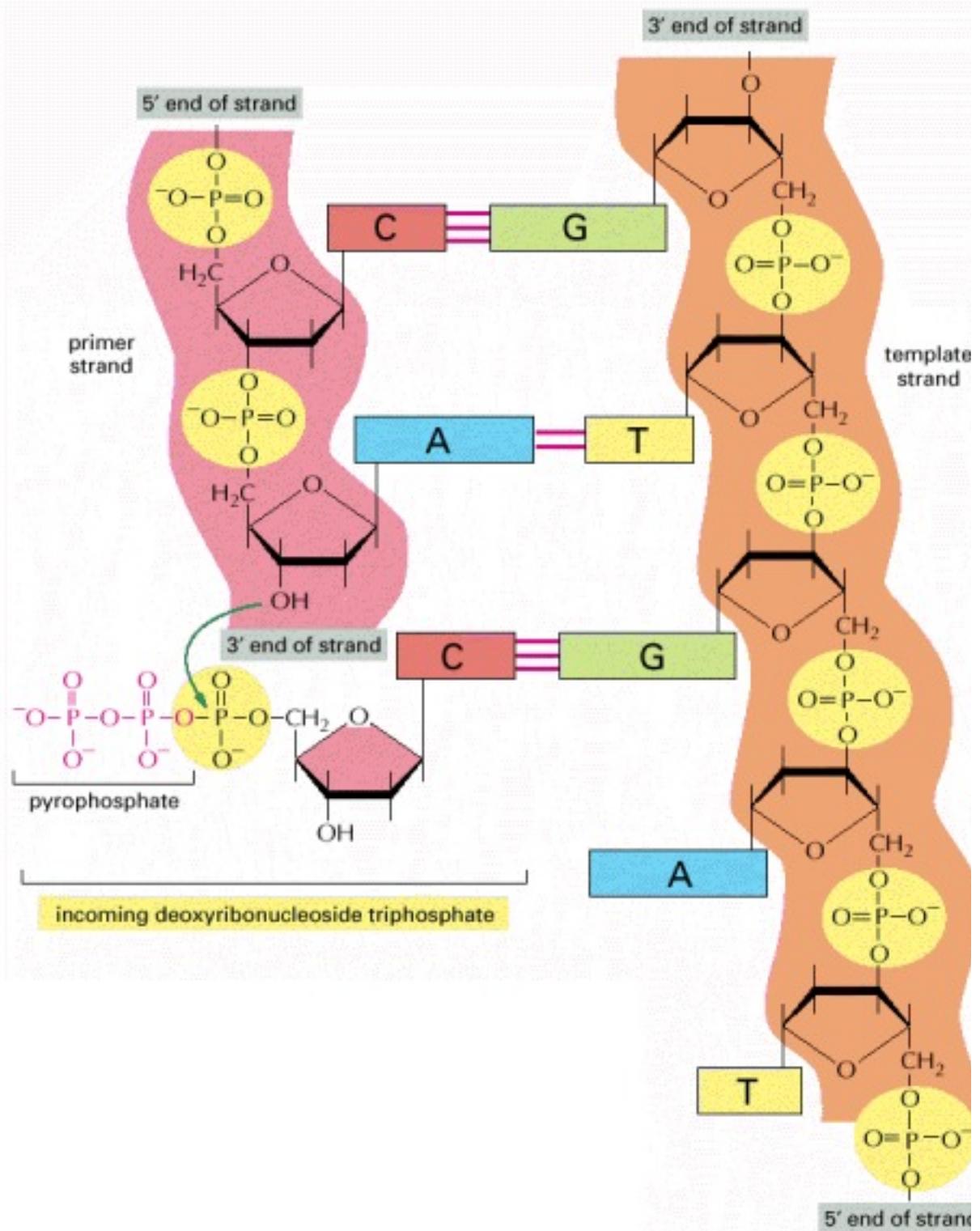
إذاً يجب على جميع الكائنات الحية نسخ الحمض النووي الخاص بها بدقة غير عادية قبل كل انقسام للخلية.
في هذا المحاضرة، سنتعرف على كيفية قيام replication machine بتحقيق هذه الدقة، حيث تقوم بتكرار الحمض النووي بمعدلات تصل إلى 1000 نوكليوتيد في الثانية.

► إن النقطة الأساسية في تضاعف ال DNA تعتمد على خاصية التكامل الموجودة بين القواعد الأزوتية (A with T, and G with C) حيث بعد تباعد السلسلتان عن بعضهما (فك الحزنة) بواسطة إنزيمات خاصة، نحصل على سلسلتان كل منهما تعمل ك قالب Template، وتصبح الروابط الهيدروجينية مكسوقة وجاهزة لاستقبال nucleotides حرة بمساعدة إنزيم DNA polymerase لتشكل سلسلة جديدة كما في الشكل رقم (١)



الشكل رقم (١): شريطي الحزون المزدوج ل DNA تعمل كل منها ك قالب لإنشاء شريط آخر مكمل، بالاعتماد على خاصية تكامل القواعد الأزوتية.

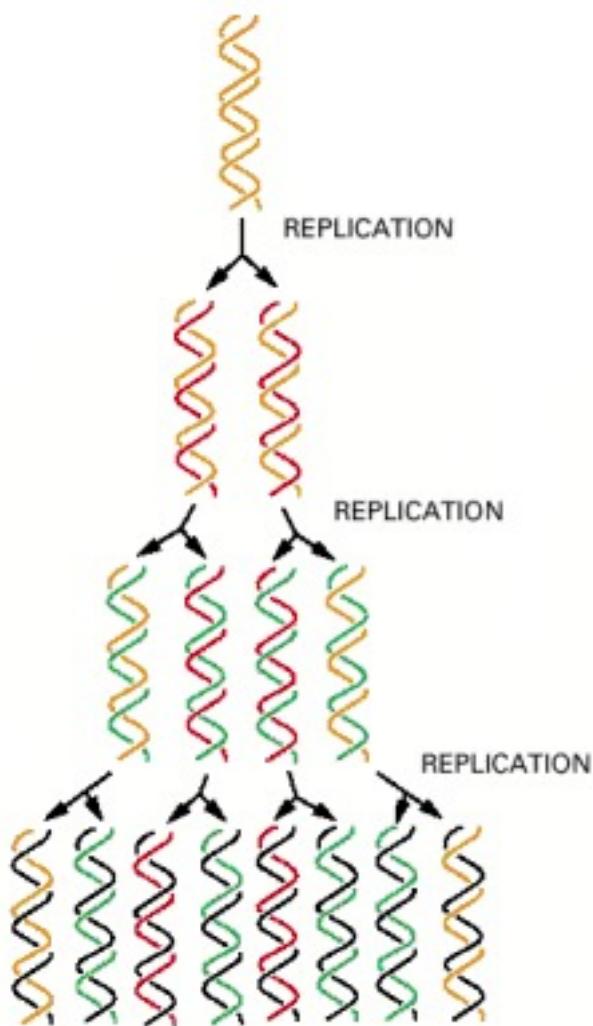
► إن إضافة deoxyribonucleotide إلى النهاية '3' في الشريط الذي يدعى primer strand هو شيء أساسى للبدء في تخليق ال DNA، حيث يعمل هذا الشريط كمرشد أو دليل للحصول على شريط جديد كما يبين الشكل رقم (٢)



الشكل رقم (٢): إضافة deoxyribonucleotide إلى النهاية ٣ من الشريط البادى

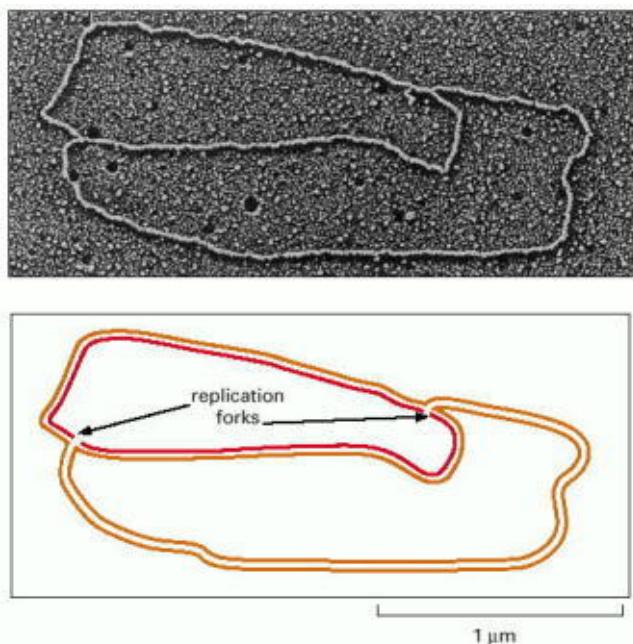
► تشكل شوكة التضاعف :Replication Fork

بما إن كلا شريطي DNA تعمل كقالب من أجل تشكيل شريط ثانٍ كامل جديد، وكون كل خلية بنت ناتجة عن انقسام الخلية التي حدث فيها تضاعف ال DNA تحوي شريط DNA قديم وشريط DNA جديد فإننا ندعوا هذا التضاعف بنصف المحافظ (يوجد أيضاً تضاعف محافظ وتضاعف مشتت). الشكل رقم (٣) كيف يتم إنجاز مثل هذا التضاعف؟؟



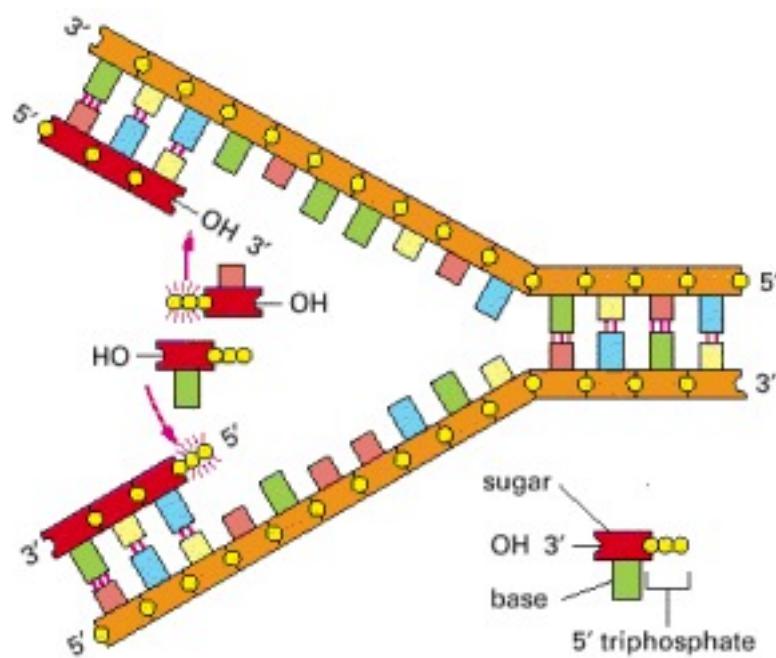
الشكل رقم (٣) يوضح هذا الشكل الطبيعية شبه المحافظة لـ DNA حيث يتم استخدام شريطي DNA لاستكمال الشريط الآخر المكمل، لذلك يبقى الشريطان الاساسيان سليمان عبر العديد من أجيال الخلايا.

كشفت التحليلات التي أجريت في أوائل الستينيات من القرن الماضي على كامل الكروموسومات المتضاعفة الدائرية عن وجود منطقة موضعية من النسخ تتحرك تدريجياً على طول الحزون المزدوج للحمض النووي الأبوي، تسمى هذه المنطقة النشطة شوكة النسخ بسبب هيكلها على شكل Y . (الشكل رقم ٤).



الشكل رقم (٤): يظهر هذا الشكل تشكيل شوكتان متضاعف تتحركان باتجاهين متعاكسان حيث نلاحظ منطقة نشطة تتحرك على طول الجزيء المتضاعف، منشأة شكل حرف Y يدعى بشوكة التضاعف، نلاحظ ذراعان لكل شوكة في جزيئة DNA البنت وجذع الشوكة يكون في جزيئة DNA الأبوية. الشرائط الأبوية باللون البرتقالي، والاشرطة الجديدة حمراء.

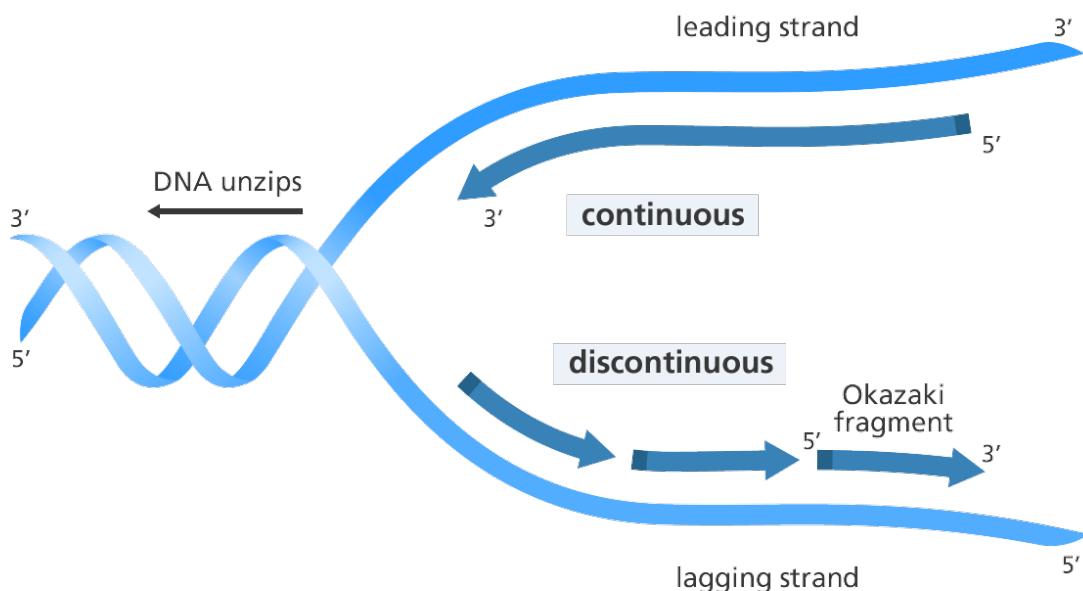
في البداية، بدا أن أبسط آلية لفهم تضاعف الحمض النووي هي النمو المستمر لكل من الخيوط الجديدة عند طرفي شوكة النسخ حيث ينتقل من أحد طرفي جزيء الحمض النووي إلى الطرف الآخر. ولكن بسبب الاتجاه المضاد للتوازي بين خيوط الحمض النووي في الحلزون المزدوج للحمض النووي، فإن هذه الآلية تتطلب خيطاً ابن daughter strand واحد للبلمرة في اتجاه 5'-to-3' آخر في اتجاه 3'-to-5'. وبهذا الشكل تتطلب شوكة النسخ إنزيمي DNA polymerase مختلفين. واحد سوف ينسخ باتجاه 3'-to-5' حيث يكون مسؤولاً عن إضافة كل وenzym آخر سوف ينسخ باتجاه 5'-to-3' وهذا الاتجاه يسمى النمو الرأسى، حيث أن نهاية سلسلة الـDNA النامية سوف تحتاج لإضافة nucleotide رقم (5) ولكن النسخ بهذا الاتجاه على الرغم من إمكانية حدوثه بشكل صناعي خارج الخلية، إلا إنه لا يمكن أن يحدث بشكل طبيعي في الخلية الحية لعدم توفر إنزيم بوليميراز ينسخ بهذا الاتجاه.



الشكل رقم (٥) نموذج غير صحيح لتضاعف الحمض النووي. على الرغم من أنه قد يبدو أبسط نموذج ممكن لتضاعف الحمض النووي، إلا أن الآلية الموضحة هنا ليست تلك التي تستخدمها الخلايا. في هذا المخطط، ستنمو خيوط DNA الجديدة باستمرار، باستخدام طاقة التحلل المائي للفوسفاتين النهائين (دواير صفراء مظللة بالأشعة الحمراء) بالإضافة إلى نوكليوتيد التالي على كل خيط. سيتطلب هذا نمو السلسلة في كل الاتجاهين ولكن لم يتم العثور على أي إنزيم يحفز بلمرة النوكليوتيدات في اتجاه 5' to 3'

أَدَّ السؤال المطروح كيف يمكن أن يحدث بلمرة في هذا الاتجاه؟؟؟ تم اقتراح الإجابة أول مرة من خلال نتائج التجارب في أواخر السبعينيات، حيث أضاف الباحثون عناصر مشعة إلى البكتيريا المنقسمة لبضع ثوانٍ، بحيث أصبح أحدث نسخ الحمض النووي فقط والموجود خلف شوكة النسخ معلم إشعاعيًّا. كشفت هذه التجربة عن الوجود العابر لقطع الحمض النووي التي يتراوح طولها بين 1000 و 2000 نوكليوتيد، والمعروفة الآن باسم قطع أوکازاكي Okazaki fragments، عند شوكة النسخ المتزايدة. (تم العثور على وسيطات تكرار مماثلة في وقت لاحق في حقيقيات النوى، حيث يبلغ طولها 100-200 نوكليوتيد فقط). وقد تبين أن Okazaki fragments مبلمرة فقط في اتجاه 5' إلى 3' يتم ضمها معًا بعد نسخها لتشكل سلاسل DNA طويلة. الشكل رقم (٦)

DNA replication fork



الشكل رقم (٦): يبين الشكل ان احدى الشريطتين يكون فيه النسخ بالاتجاه ٣' والأخر يكون بالاتجاه العكسي ولكن بصورة غير مستمرة.

اذاً يتبيّن لنا ان شوكة النسخ هي بناء غير متجانس، حيث أن شريط الـ DNA الجديد والذيبني بطريقة مستمرة يعرف باسم الشريط الامامي او **leading strand**، أما الشريط الآخر الذيبني بطريقة غير مستمرة فيدعى الشريط الخلفي او **Lagging strand**. بالنسبة للخيط Lagging strand ، يكون اتجاه البلمرة النووية عكس الاتجاه العام لنمو سلسلة الحمض النووي. يتأخّر تخلق الحمض النووي لهذه لخيوط لأنّه يجب أن ينتظر الخيط **leading strand** لتجهيز الشريط القالب الذي يتم عليه تصنيع كل جزء من أجزاء اوكازاكي. إن تخلق هذا الخيط يؤكّد ان انزيم بوليميراز يعمل في اتجاه واحد فقط.

► يقوم إنزيم البلمرة الخاص بالنويكلويوتيدات بتشكيل جزيئات تمهدية قصيرة من RNA على

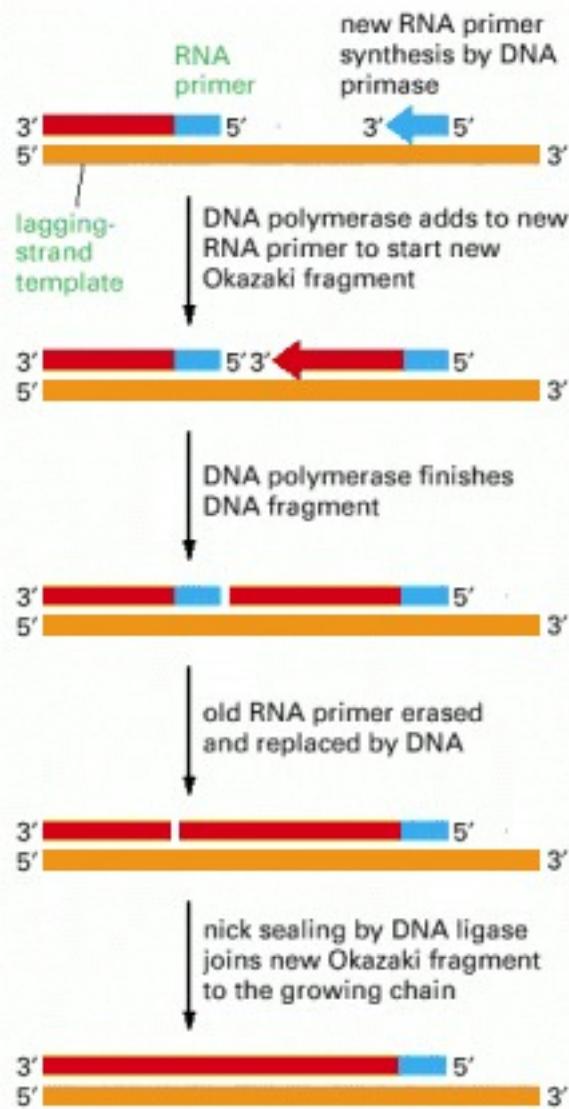
Lagging Strand

بالنسبة للخيط **leading strand** ، هناك حاجة إلى بدأ خاص فقط في بداية النسخ ، بمجرد إنشاء شوكة النسخ ، يتم تقديم بوليميراز الحمض النووي باستمرار بنهاية سلسلة الجديدة لإضافة نويكلويوتيدات جديدة عليها. على **Lagging Strand** من الشوكة، في كل مرة يكمل فيها بوليميراز الحمض النووي جزءاً قصيراً من DNA Okazaki (يستغرق بضع ثوانٍ) ، يجب أن يبدأ في تصنيع جزء جديد تماماً في موقع آخر على طول الشريط القالب (الشكل رقم ٩). يتم استخدام آلية خاصة لإنتاج الشريط التكميلي. تتضمن الآلية إنزيمًا يسمى DNA primase، والذي يستخدم ribonucleoside triphosphates لتركيب بادئات RNA قصيرة على **Lagging Strand**.

أن الحمض النووي الريبي مشابه جداً في التركيب للحمض النووي. يمكن لشريط من الحمض النووي الريبي أن يشكّل أزواجاً قاعدة مع خيط من الحمض النووي، مما يؤدي إلى توليد حلزون مزدوج هجين

إذا كان تسلسل النوكليوتيدات متكاملين. وبالتالي، يتم توجيه توليف بادئات الحمض النووي الريبي RNA بنفس مبدأ النمذجة المستخدم في تخلق الحمض النووي.

نظراً لأن أساس RNA (بادئات) يحتوي على نهاية 'OH-3' في أحد طرفيه، يمكن إضافة deoxyribonucleoside إلى هذه النهاية، وهكذا يتم نمو هذا الشريط باتجاه معاكس للشريط الأمامي. ينتهي تخلق كل جزء من أجزاء Okazaki عندما يصل بوليميراز DNA هذا إلى النهاية '5' لقطعة اوكيزازي السابقة. لإنتاج سلسلة مستمرة من الحمض النووي من العديد من قطع الحمض النووي المصنوعة على الشريط المتأخر، يعمل نظام إصلاح خاص للحمض النووي بسرعة لمحو أساس الحمض النووي الريبي القديم واستبداله بالحمض النووي. ثم يقوم إنزيم يسمى DNA ligase بضم الطرف '3' من جزء الحمض النووي الجديد إلى النهاية '5' من السابق لإكمال العملية.



الشكل رقم (٧): شكل يوضح كيفية تشكيل قطع الـ DNA على الشريط lagging strand في حقيقيات النوى تكون بادنات الـ RNA بعيدة عن بعضها بفواصل ٢٠٠ نكليوتيد،

نهاية المحاضرة الثالثة